1/9/1
DIALOG(R) File 351: Derwent WPI
(c) 2001 Derwent Info Ltd. All rts. reserv.

013400334
WPI Acc No: 2000-572272 /200053
XRAM Acc No: C00-170679
Cell specific multivalent proteins useful



Cell specific multivalent proteins useful for targeting specific cells for the treatment of disease
Patent Assignee: AVENTIS PHARMA DEUT GMBH (AVET)

Inventor: KONTERMANN R; MUELLER R; NETTELBECK D; SEDLACEK H

Number of Countries: 089 Number of Patents: 003

Patent Family:

Applicat No Kind · Patent No Kind Date Date 20000914 · WO 2000EP1612 WO 200053790 A1 Α 20000226 200053 DE 19910419 A1 20000921 DE 1010419 Α 19990310 AU 200032829 A 20000928 AU 200032829 Α 20000226

Priority Applications (No Type Date): DE 1010419 A 19990310 Patent Details:

Patent No Kind Lan Pg Main IPC Filing Notes WO 200053790 A1 G 81 C12N-015/87

Designated States (National): AE AL AM AT AU AZ BA BB BG BR BY CA CH CN CR CU CZ DE DK DM EE ES FI GB GD GE GH GM HR HU ID IL IN IS JP KE KG KP KR KZ LC LK LR LS LT LU LV MA MD MG MK MN MW MX NO NZ PL PT RO RU SD SE SG SI SK SL TJ TM TR TT TZ UA UG UZ VN YU ZA ZW

Designated States (Regional): AT BE CH CY DE DK EA ES FI FR GB GH GM GR IE IT KE LS LU MC MW NL OA PT SD SE SL SZ TZ UG ZW

DE 19910419 A1 C07K-016/00

AU 200032829 A C12N-015/87 Based on patent WO 200053790

Abstract (Basic): WO 200053790 A1

NOVELTY - A cell specific multivalent protein (MVP), is new. DETAILED DESCRIPTION - Cell specific, multivalent protein (MVP) characterized by the following components covalently bound with one another:

- (a) a binding structure (a)n specific for a vector;
- (b) a linker (b) m; and
- (c) at least two binding structures (c)o for the target cell.

n=1-10;

m=1-10; and

0=2-10.

INDEPENDENT CLAIMS are also included for the following:

- (1) a nucleic acid construct, which encodes an MVP (as above);
- (2) a bacterium, yeast or mammalian cell, in which the nucleic acid construct of (1) is introduced;
 - (3) the MVP (as above), bound to a vector;
 - (4) production of an MVP (as above);
- (5) an MVP comprising a scFV with a binding site for the adenoviral fibre protein or CD3 molecule and two VEBF units, bound by a peptide linker; and
- (6) a complex comprising at least two MVPS as above (in which each single ligand can be 0=1).

MECHANISM OF ACTION - Multivalent cell specific protein; Vaccine. USE - The MVP, optionally bound to a vector, is useful for production of a remedy to treat cells outside tissue by dressings for skin, mucus, nervous systems, inner organs, haematopoietic systems, immune systems, musculature, support tissues or joints and to immunize to prevent or treat diseases (claimed).

pp; 81 DwgNo 0/2

Technology Focus:

TECHNOLOGY FOCUS - BIOTECHNOLOGY - Preferred Protein: The binding structure is chosen from a cellular receptor for a virus, e.g. AdV (adenovirus), AAV (adeno-associated virus), a lentivirus, an RTV, vaccinia virus, HSV (Herpes simplex virus), influenza virus or HIV (human immunodeficiency virus), a recombinant antibody specific for a viral protein, for a non-viral vector or for a nucleic acid, which encodes IgG, F(ab')2, Fab, rec. Fv, diabody or single chains, or double antigen binding proteins, a peptide with a reactive group to conjugate

to a virus protein or a peptide with a binding affilmity to a defined nucleic acid sequence, e.g. LexA, Gal4 or a DNA binding domain of a transcription factor. Components (a) and (c) are of human origin. Title Terms: CELL; SPECIFIC; MULTIVALENT; PROTEIN; USEFUL; SPECIFIC; CELL; TREAT; DISEASE Derwent Class: B04; D16 International Patent Class (Main): C07K-016/00; C12N-015/87 International Patent Class (Additional): A61K-038/12; A61K-038/17; A61K-039/00; A61K-039/395; C07K-014/07; C07K-014/155; C07K-014/435; C07K-014/47; C07K-016/46; C12N-015/12; C12N-015/62; C12N-015/63; C12N-015/83 File Segment: CPI Manual Codes (CPI/A-N): B04-B04L; B04-C01; B04-E01; B04-E03; B04-E08; B04-F0100E; B04-N0200E; B11-A; B11-C08E; B11-C09; B14-G03; B14-L06; B14-N01; B14-N16; B14-N17; B14-S11; D05-C11; D05-H08; D05-H12A; D05-H12E; D05-H14; D05-H17A; D05-H18. Chemical Fragment Codes (M1): *01* D011 D601 G010 G100 H1 H100 M710 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GE9-T RA2GE9-N *02* H1 H100 H181 H4 H498 H9 J0 J014 J1 J173 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M381 M393 M423 M620 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEC-T RA2GEC-N *03* G010 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J171 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M314 M315 M321 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M510 M520 M531 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GED-T RA2GED-N *04* D011 D019 D601 D699 G010 G019 G100 H1 H100 H181 H5 H598 H9 J0 J014 J1 J173 J3 J373 M210 M211 M271 M281 M311 M312 M313 M315 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M393 M423 M512 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEF-T RA2GEF-N *05* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M3.13 M3.15 M3.21 M3.23 M3.31 M3.32 M3.33 M3.40 M3.42 M3.43 M3.49 M3.71 M3.81 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEG-T RA2GEG-N *06* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEH-T RA2GEH-N *07* G010 G019 G100 H1 H100 H181 M710 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEI-T RA2GEI-N *08* G010 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M510 M520 M531 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEJ-T RA2GEJ-N *09* G010 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M510 M520 M531 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEK-T RA2GEK-N *10* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M323 M710 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEO-T RA2GEO-N *11* J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M510 M520 M531 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GER-T RA2GER-N *12* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M321 M322 M323-M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GES-T RA2GES-N *13* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J173 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEU-T RA2GEU-N *14* G010 G019 G100 H1 H100 H181 H5 H598 H9 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M210

M211 M271 M281 M311 M312 M313 M315 M322 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEV-T RA2GEV-N

15 G010 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J172 J3 J373 M260 M311 M312 M313 M315 M321 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M510 M520 M531 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEW-T RA2GEW-N *16* G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J171 J3 J373 M280 M311 M312 M314 M315 M321 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M392 M393 M423 M510 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GEY-T RA2GEY-N *17* D011 D601 G010 G019 G100 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J173 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M393 M423 M511 M520 M532 M540 M710 M904 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA2GF1-T RA2GF1-N *18* M710 M905 N135 P421 P431 P434 P440 P450 P943 Q233 RA00NS-T RA00NS-N *19* M423 M710 M905 N135 Q233 RA012P-N *20* M423 M710 M905 N135 Q233 RA00GT-N *21* D011 D601 H1 H100 H181 J0 J014 J1 J173 J3 J373 M280 M311 M312 M313 M315 M323 M331 M332 M333 M340 M342 M343 M349 M371 M381 M391 M393 M423 M511 M520 M530 M540 M710 M904 M905 N135 Q233 RA2GFC-N Specific Compound Numbers: RA2GE9-T; RA2GE9-N; RA2GEC-T; RA2GEC-N; RA2GED-T ; RA2GED-N; RA2GEF-T; RA2GEF-N; RA2GEG-T; RA2GEG-N; RA2GEH-T; RA2GEH-N; RA2GEI-T; RA2GEI-N; RA2GEJ-T; RA2GEJ-N; RA2GEK-T; RA2GEK-N; RA2GEO-T; RA2GEO-N; RA2GER-T; RA2GER-N; RA2GES-T; RA2GES-N; RA2GEU-T; RA2GEU-N; RA2GEV-T; RA2GEV-N; RA2GEW-T; RA2GEY-N; RA2GEY-T; RA2GEY-N; RA2GF1-T; RA2GF1-N; RA00NS-T; RA00NS-N; RA012P-N; RA00GT-N; RA2GFC-N Key Word Indexing Terms: *01* 318392-1-0-0-CL, NEW 318395-1-0-0-CL, NEW 318397-1-0-0-CL, NEW 318400-1-0-0-CL, NEW 318401-1-0-0-CL, NEW 318402-1-0-0-CL, NEW 318403-1-0-0-CL, NEW 318406-1-0-0-CL, NEW 318407-1-0-0-CL, NEW 318411-1-0-0-CL, NEW 318414-1-0-0-CL, NEW 318416-1-0-0-CL, NEW 318417-1-0-0-CL, NEW 318419-1-0-0-CL, NEW 318420-1-0-0-CL, NEW 318422-1-0-0-CL, NEW 318425-1-0-0-CL, NEW 318434-1-0-0-CL, NEW

93605-0-0-0-CL, NEW 105730-0-0-CL, NEW 200757-0-0-0-CL, NEW



PCT WELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM
Internationales Büro
INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 7:

C12N 15/87, 15/12, C07K 14/47, C12N 15/62, A61K 38/12, 39/00, C07K 16/00, 16/46

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer:

WO 00/53790

A1

(43) Internationales Veröffentlichungsdatum:

14. September 2000 (14.09.00)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP00/01612

(22) Internationales Anmeldedatum: 26. Februar 2000 (26.02.00)

(30) Prioritätsdaten:

199 10 419.0

10. März 1999 (10.03.99)

DE

(71) Anmelder: AVENTIS PHARMA DEUTSCHLAND GMBH [DE/DE]; Bruningstrasse 50, D-65929 Frankfurt am Main

(72) Erfinder: KONTERMANN, Roland; Auf dem Brunkel 27, D-35085 Ebsdorfergrund (DE). NETTELBECK, Dirk; Steinweg 41, D-35037 Marburg (DE). SEDLACEK, Hans-Harald; Sonnenhang 3, D-35041 Marburg (DE). MÜLLER, Rolf; Poitiersstrasse 8, D-35037 Marburg (DE). (81) Bestimmungsstaaten: AE, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, UZ, VN, YU, ZA, ZW, ARIPO Patent (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht. Vor Ablauf der für Änderungen der Ansprüche zugelassenen Frist; Veröffentlichung wird wiederholt falls Änderungen

- (54) Title: TARGET CELL-SPECIFIC, MULTIVALENT PROTEINS (MVP)
- (54) Bezeichnung: ZIELZELLSPEZIFISCHE, MULTIVALENTE PROTEINE (MVP)

(57) Abstract

The invention relates to a target cell-specific, multivalent protein (MVP) characterized in being comprised of the following components which are covalently bound to one another: a) a binding structure (a)n specific for the vector; b) a linker (b)m and; d) at least two binding structures (c)₀ for the target cell, whereby, independent of one another, n=1, m=1-10 and o=2-10. The invention also relates to the production and use of said multivalent protein.

(57) Zusammenfassung

Die Erfindung bezieht sich auf ein zielzellspezifisches, multivalentes Protein (MVP) dadurch charakterisiert, dass das MVP aus folgenden kovalent miteinander verbundenen Komponenten besteht: a) einer Bindestruktur (a)n spezifisch für den Vektor, b) einem Linker (b)m, und d) mindestens zwei Bindestrukturen (c)o für die Zielzelle; wobei unabhängig voneinander n=1, m=1-10 und o=2-10 sind, seine Herstellung und Verwendung.

LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

AL	Albanien	ES	Spanien	LS	Lesotho	SI	Slowenien
AM	Armenien	FI	Finnland	LT	Litauen	SK	Slowakei
AT	Österreich	FR	Frankreich	LU	Luxemburg	SN	Senegal
AU	Australien	GA	Gabun	LV	Lettland	SZ	Swasiland
AZ	Aserbaidschan	GB	Vereinigtes Königreich	MC	Monaco	TD	Tschad
BA	Bosnien-Herzegowina	GE	Georgien	MD	Republik Moldau	TG	Togo
BB	Barbados	GH	Ghana	MG	Madagaskar	TJ	Tadschikistan
BE	Belgien	GN	Guinea	MK	Die ehemalige jugoslawische	TM	Turkmenistan
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland		Republik Mazedonien	TR	Türkei
BG	Bulgarien '	HU	Ungarn	ML	Mali	TT	Trinidad und Tobago
BJ	Benin	IE	Irland	MN	Mongolei	UA	Ukraine
BR	Brasilien	IL	Israel	MR	Mauretanien	UG	Uganda
BY	Belarus	IS	Island	MW	Malawi	US	Vereinigte Staaten vor
CA	Kanada	IT	Italien	MX	Mexiko		Amerika
CF	Zentralafrikanische Republik	JP	Japan	NE	Niger	UZ	Usbekistan
CG	Kongo	KE	Kenia	NL	Niederlande	VN	Victnam
CH	Schweiz	KG	Kirgisistan	NO	Norwegen	YU	Jugoslawien
CI	Côte d'Ivoire	KP	Demokratische Volksrepublik	NZ	Neuseeland	zw	Zimbabwe
CM	Kamerun		Korea	PL	Polen		
CN	China	KR	Republik Korea	PT	Portugal		
CU	Kuba	ΚZ	Kasachstan	RO	Rumānien		
CZ	Tschechische Republik	LC	St. Lucia	RU	Russische Föderation		
DE	Deutschland	ัน	Liechtenstein	SD	Sudan		-
DK	Dänemark	LK	Sri Lanka	SE	Schweden		
EE	Estland	LR	Liberia	SG	Singapur		

Beschreibung

Zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP)

5 1. Einleitung

In der Natur kommen zahlreiche monovalente Proteine vor. Diese monovalenten Proteine binden mit ihrem Bindungspartner, z. B. einem Zellmembranrezeptor, in einem stöchiometrischen Verhältnis von 1:1. Beispiele für derartige monovalente Proteine sind Wachstumsfaktoren, Cytokine, Chemokine, Peptidhormone und Komplementrezeptoren. Des weiteren kommen in der Natur auch Bindungen in einem stöchiometrischen Verhältnis von ≥ 2:1 vor. So binden beispielsweise zwei Moleküle des Wachstumsfaktors VEGF in Form eines Dimers an einen Zellmembranrezeptor, den VEGF-Rezeptor, um diesen zu aktivieren, während die Bindung von Monomeren keine Aktivierung dieses Rezeptors bewirken kann.

Die Menge an Bindungsprodukten zwischen derartigen monovalenten Proteinen und beispielsweise ihren Rezeptoren wird hierbei bestimmt von der Stärke der Bindungskräfte zwischen beiden Bindungspartnern und ihren jeweiligen

20 Konzentrationen.

Zur Erhöhung der Menge an Bindungsprodukten werden von der Natur bereits bivalente und multivalente Proteine hergestellt. Derartige bivalente und multivalente Proteine sind beispielsweise Dimere oder Multimere von monovalenten Proteinen.

- Beispiele hierfür sind Antikörper (über SH-Gruppen miteinander verbundene Dimere zweier gleicher, über SH-Gruppen miteinander verbundener Heterodimere, jeweils bestehend aus einer L-Kette und einer H-Kette) oder der T-Zell-Rezeptor, bestehend aus einer α-Kette und einer β-Kette.
- Die in natürlicher Weise vorkommenden bivalenten und multivalenten Proteine haben jedoch folgende Nachteile:
 - sie binden nur an einen Bindepartner

- ihre Molekülgröße ist beträchtlich
- ihre Penetrationsfähigkeit durch Zellmembranen und durch die extrazelluläre
 Matrix ist äußerst gering
- sie binden nur homogene, nicht heterogene Bindepartner
- 5 ihre biotechnologische Herstellung ist äußerst aufwendig.

Gegenstand der Erfindung sind nunmehr neue zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP), welche mindestens zwei Bindestrukturen haben, die an ein Molekül eines Bindepartners oder mindestens an zwei unterschiedliche Bindepartner binden.

10

20

Gegenstand der Erfindung sind des weiteren zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP), welche ein fusogenes Peptid enthalten und mit Hilfe dieses fusogenen Peptids durch Zellmembranen penetrieren können.

Gegenstand der Erfindung sind desweiteren zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP), welche eine Spaltsequenz für eine Protease enthalten.

Gegenstand der Erfindung ist darüber hinaus die Verwendung eines derartigen zielzellspezifischen, multivalenten Proteins für die Prophylaxe, Therapie oder Diagnose einer Erkrankung.

Zielzellspezifische, multivalente Proteine sind bereits als Liganden für virale oder nicht virale Vektoren beschrieben worden.

Zur Zielsteuerung von Adenoviren wurden bisher zwei verschiedene Strategien beschrieben (Curiel, D.T. et al., 1998, Tumor Targeting 3:59). Eine Möglichkeit ist die Modifikation des adenoviralen "fiber"-Proteins an der für die Bindung an Zellen verantwortlichen "knob"-Domäne. Dazu muß das adenovirale Genom modifiziert werden. Bei der zweiten Strategie werden Fusionsproteine aus einer neutralisierenden Domäne und einem Liganden an die Viren gebunden. Als neutralisierende Domäne werden bisher Antikörper verwendet, die an die "knob"-Domäne des Adenovirus binden und so die Bindung des Virus an Zellen verhindern, d.h. die Adenoviren "neutralisieren". Der fusionierte Ligand bedingt durch Bindung

an den entsprechenden, spezifischen zellulären Rezeptor eine Zielsteuerung des Virus an jene Zellen, die diesen Rezeptor exprimieren. Eine Modifikation des fiber-Gens ist bei diesem Ansatz nicht notwendig und es können mit vergleichsweise geringem Aufwand viele verschiedene Liganden getestet werden.

5

15

Im Sinne der oben beschriebenen Strategien sind folgende Techniken beschrieben worden:

- die genetische Modifikation von Viren (im besonderen Adenoviren), so daß auf
 ihrer Oberfläche zusätzliche Peptidsequenzen zur Konjugation von den gewünschten Liganden exprimiert werden (WO 95/26412)
 - die Komplexierung eines Virus (im besonderen Adenovirus)mit einem
 Fusionsprotein bestehend aus dem zellexternen Teil des zellulären Rezeptors für das Virus, einem Linker und einem Liganden für einen Rezeptor auf der gewünschten Zielzelle (WO 98/33929)
 - die Komplexierung eines Virus (im besonderen Adenovirus) mit einem Fusionsprotein bestehend aus einem Antikörper bzw. Antikörperfragment spezifisch für ein Protein auf dem Viruskapsid und einem Liganden spezifisch für die gewünschte Zielzelle (WO 94/10323, WO 98/40508)
- die Komplexierung eines Virus (im besonderen Adenovirus) mit einem
 Fusionsprotein (bestehend aus einem Antikörper bzw. Antikörperfragment spezifisch für ein Epitop in der Hexonregion des Virus und einem kationischen Peptid) und einem Plasmid (EP A 0 535 576 A1).
- Des weiteren wurden beispielsweise mit gentechnologischen Methoden zellspezifische Bindestrukturen wie Heregulin (Han et al., PNAS 92, 9747 (1995)), Erythropoietin (Kasahara et al., Science 266, 1373 (1994)), Antikörperfragmente wie "single chain Fv" (Marin et al., J. Virol. 70, 2957 (1996)) oder Rezeptoren wie der extrazelluläre Teil des Fc-Rezeptors (Dougherty et al., Transfusion Science 17, 121
 (1996)) in die Hüllglykoproteine von retroviralen Vektoren eingebaut und hierdurch eine Zielzellspezifität bewirkt.

WO 00/53790 PCT/EP00/01612

Nichtvirale Vektoren bestehen im einfachsten Falle aus Plasmiden komplexiert mit kationischen Molekülen, wie beispielsweise kationische Polymeren oder kationische Lipiden. Um derartige Vektoren selektiv in Zellen eines bestimmten Typs einbringen zu können, wurden beispielsweise mit chemischen Methoden zellspezifische Bindestrukturen, wie das Asialoglykoprotein (Wu et al., J. Biol. Chem. 269, 1152 (1994)) oder synthetische Derivate hiervon (Merwin et al., Bioconjugate Chem. 5, 612 (1994)) mit Polylysin verknüpft und dieses entweder mit dem Genkonstrukt komplexiert oder an Hüllproteine von adenoviralen Vektoren chemisch gebunden.

5

30

- Eine weitere Methode war zellspezifische Bindestrukturen an Streptavidin zu binden, welches sich wiederum an Biotin, konjugiert an die Phospholipidkopfgruppen von Liposomen bindet, wobei die Liposomen mit Genkonstrukten komplexiert sind (Redelmeir et al., Drug Deliv. J. Deliv. Targeting Therap. Agents 2, 98 (1995)). Eine Weiterentwicklung bestand in der Herstellung künstlicher Ligandensysteme
 bestehend aus einer zielzellspezifischen Bindestruktur, einer vektorspezifischen Bindestruktur und ggf. einem fusogenen Peptid. ein erstes derartiges Ligandensystem wurde von Fominaya et al., J. Biol. Chem. 271, 10560 (1996) vorgestellt.
- Dieses Ligandensystem besteht aus einem Antikörperfragment spezifisch für den Erb B2-Rezeptor auf Tumorzellen, dem fusogenen Peptid des Pseudomonas Exotoxin A und der DNA-bindenden Domäne des Gal4-Proteins der Hefe, die an die korrespondierende Gal4-Bindesequenz, eingefügt in ein das Transgen enthaltende Plasmid, bindet. Dieses Ligandensystem führt zwar zu einer zielzellspezifischen Transfektion, besitzt jedoch den Nachteil der Immunogenität des Gal4-Proteins der Hefe.

Eine deutliche Verbesserung fusogener Ligandensysteme für virale und nicht virale Vektoren erfolgte mit dem Aufbau von mehrfach funktionellen Ligandensystemen unter Bevorzugung nicht oder nur gering immunogener Komponenten (EP-A 0 846 772). Des weiteren ermöglicht die Technologie für einzelkettige, zweifachantigenbindende Moleküle (DE 198161417, nicht veröffentlicht), relativ

einfach zielzellspezifische, künstliche Ligandensysteme mit oder ohne fusogene Peptide für virale oder nichtvirale Vektoren herzustellen.

Die Funktionsfähigkeit dieser verschiedenen Techniken für zielzellspezifische

Liganden von Vektoren wurde in den aufgeführten unterschiedlichen

Veröffentlichungen und Patentanmeldungen beschrieben. Gemeinsam ist diesen

Ligandensystemen jedoch der Nachteil, daß die Aufnahme der Vektoren in die Zelle

durch Pinozytose oder Endozytose nur unzureichend ist. Es besteht somit ein

beträchtlicher Bedarf an einer Verbesserung von künstlichen zielzellspezifischen

Ligandensystemen auch in der Gentherapie.

2. Kurzbeschreibung der Erfindung

15

20

25

Gegenstand der Erfindung sind zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP) für die Prophylaxe, Therapie oder Diagnose einer Erkrankung, dadurch charakterisiert, daß das MVP mindestens zwei gleiche Bindestrukturen aufweist, die an ein Molekül eines Bindepartners auf der Zielzelle binden. Gegenstand der Erfindung sind des weiteren MVP, welche mindestens zwei unterschiedliche Bindestrukturen spezifisch für gleiche oder unterschiedliche Bindepartner auf der Zielzelle aufweisen. Durch die erfindungsgemäßen Moleküle wird eine verbesserte Bindung an, Aufnahme in die oder Vernetzung mit der Zielzelle ermöglicht. Die vorliegende Erfindung ist eine Weiterentwicklung der Erfindung, offenbart in der Patentanmeldung EP-A 0 846 772, in welcher multifunktionelle Liganden beschrieben werden, sowie eine Weiterentwicklung der Technologie zur Herstellung einzelkettiger, zweifachantigenbindender Moleküle (DE 198161417, nicht veröffentlicht). Auf beide Patentanmeldungen wird mit dieser Erfindung ausdrücklich Bezug genommen.

Die zellspezifischen Bindestrukturen gemäß der vorliegenden Erfindung können sein zellmembranbindende Wirkstoffe, wie beispielsweise Homodimere oder

Homomultimere eines Adhäsionsmoleküles, eines Wachstumsfaktors, eines Cytokins, eines Chemokins, eines Hormons, eines Antikörpers oder eines Antikörperfragmentes oder aber die zellmembranbindenden Teile dieser Wirkstoffe, welche nur an ein Molekül eines Zellmembranrezeptors binden.

Diese Bindestrukturen können des weiteren sein Heterodimere oder Heteromultimere aus zellmembranbindenden Wirkstoffen, wie beispielsweise aus Adhesionsmolekülen, Wachstumsfaktoren, Cytokinen, Chemokinen, Hormonen, Antikörpern oder Antikörperfragmenten oder aber die zellmembranbindenden Teile dieser Wirkstoffe, welche an mindestens zwei unterschiedliche Zellmembranrezeptoren binden und diese vernetzen.

Die erhöhte Bindung an oder die Kreuzvernetzung von gleichen oder unterschiedlichen Zellmembranrezeptoren hat beispielsweise zur Folge, daß die erfindungsgemäße MVP verstärkt an die Zielzelle binden und/oder in die Zielzelle aufgenommen werden (beispielsweise durch Pinozytose, Endozytose oder Phagozytose).

Die erhöhte Bindung an andere Zielstrukturen als Zellmembranrezeptoren kann beispielsweise eine verstärkte Komplexbildung mit der Zielstruktur zu Folge haben.

Entsprechend dieser Erfindung kann das MVP aus folgenden Komponenten aufgebaut sein:

a) aus mindestens einem Wirkstoff [Komponente (a)n]

5

10

30

- 20 b) aus einem oder mehreren Linkern, die ein fusogenes Peptid und/oder eine Spaltseguenz für eine Protease enthalten können [Komponente b)_m]
 - c) aus mindestens zwei Bindestrukturen, [Komponente c),],

wobei unabhängig voneinander n=1-10, m=1-10 und o=2-10 sind und n, m und o ganze Zahlen sind.

Im Sinne der Erfindung sind hierbei die Komponenten a)_n, b)_m und c)_o durch eine beliebige Peptidsequenz mit einer Länge von vorzugsweise 0-30 Aminosäuren derartig miteinander zu verbinden, daß das hieraus resultierende MVP einen Proteineinzelstrang darstellt und die Funktion bzw. Wirkung jeder einzelnen Komponente a)_n, b)_m und c)_o vollständig erhalten bleibt.

Gegenstand der Erfindung sind des weiteren zielzellspezifische, multivalente Proteine, bei welchen mindestens zwei MVP miteinander verbunden sind. Diese Verbindung kann zwischen den Komponenten a)_n, b)_m und/oder c)_o erfolgen und nicht kovalent oder kovalent sein, beispielsweise im Sinne einer Peptidbindung oder einer -S-S-Bindung.

Beispiele für die sich aus dieser Erfindung ergebenden Möglichkeiten sind schematisch in den Figuren 1 und 2 (a-c) dargestellt.

Entsprechend dieser Erfindung kann die Komponente a)_n gleich oder unterschiedlich zur Komponente c)_o sein. Die Komponente a bzw. die Komponente c kann ausgewählt sein aus einer Gruppe beispielsweise umfassend:

- eine Bindestruktur für ein Virus, wie beispielsweise für AdV, AAV, ein Lentivirus,
 ein RTV, Vacciniavirus, HSV, Influenzavirus, HIV
- einen rekombinanten Antikörper spezifisch für ein Virusprotein, für einen nichtviralen Vektor oder für eine Nukleinsäure, wie beispielsweise ein IgG, F(ab')₂, Fab, rec. Fv, Diabody oder einzelkettiges, doppelantigenbindendes Protein
- ein Peptid mit Bindeaffinität zu einer definierten Nukleinsäuresequenz, wie beispielsweise LexA, Gal4 oder die DNA-Bindedomäne eines Transkriptionsfaktors oder ein Antikörper
 - eine Transmembrandomäne oder ein Glykophospholipidanker,
- einen Wirkstoff wie beispielsweise der den Liganden bindenden Teil eines
 Rezeptors, der Ligand für einen Rezeptor oder die den Rezeptor bindende
 Teilsequenz des Liganden; ein Peptidhormon; ein Cytokin; ein Wachstumsfaktor; ein Wachstumsfaktorinhibitor; ein Chemokin; ein Interferon; ein Mediator; ein kreislaufwirksames Peptid; ein Enzym, welches eine inaktive Vorstufe eines
 Wirkstoffes in einen aktiven Wirkstoff überführt; ein Protein, welches die
 Gerinnung aktiviert oder inhibiert; ein Protein, welches die Fibrinolyse aktiviert oder inhibiert; ein Protein, welches das Komplementsystem aktiviert oder inhibiert; eine oder mehrere konstante Domänen eines Immunglobulins; ein zytotoxisches Peptid; ein die Apoptose induzierendes Peptid; ein die Apoptose

hemmendes Peptid; ein Tumorantigen oder das Antigen eines Infektionserregers, wie beispielsweise ein bakterielles Antigen oder ein virales Antigen; ein Peptid enthaltend Cystein zur Herstellung von Dimeren des erfindungsgemäße Moleküls: und/oder ein di- bzw. multimerisierendes Peptid (Plückthun und Pack, Immunotechnol. 3, 83-105 (1997))

oder eine Bindestruktur für eine Zielzelle ausgewählt aus einer Gruppe beispielsweise umfassend:

- einen rekombinanten Antikörper spezifisch für eine Membranstruktur auf der
 Zielzelle, beispielsweise IgG, F(ab')₂, Fab, rec. Fc, Diabody oder einzelkettige,
 doppelantigenbindende Proteine
 - das Fc-Teil eines Immunglobulins
 - einen Wachstumsfaktor
 - ein Cytokin
- 15 ein Chemokin
 - ein Peptidhormon
 - ein Adhäsionsmolekül
 - einen Mediator
 - die Zellmembran-bindende Domäne eines Virushüllproteins.

20

5

Des weiteren kann entsprechend dieser Erfindung die Komponente b)_m einen oder mehrere Linker enthalten, ausgewählt aus einer Gruppe beispielsweise umfassend

- ein Peptid beliebiger Länge
- 25 ein Peptid mit mindestens zwei Cysteinen
 - die Hingeregion eines Immunglobulins
 - ein homo- oder heterodimerisierendes Peptid
 - eines der bereits aufgeführten Peptide verbunden mit einem fusogenen oder
 Translokationspeptid
- 30 eines der bereits aufgeführten Peptide mit einer Spaltstelle für Proteinase.

Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist eine Nukleinsäure kodierend für ein erfindungsgemäßes Molekül. Die Nukleinsäure ist im allgemeinen eine DNA oder RNA, vorzugsweise eine doppelsträngige DNA.

- 5 Für die gegebenenfalls gewünschte Sekretion des erfindungsgemäßen Expressionsproduktes enthält die erfindungsgemäße Nukleinsäure am 5'-Ende eine
- Nukleotidsequenz kodierend für eine Signal- oder Transmembransequenz (siehe z.B. EP-A 0 848 063 oder EP-A 0848 061). Ein Beispiel für geeignete Signal- oder 10 Transmembransequenzen ist die Signalsequenz für das Immunglobulin (DNA-Position ≤ 63 bis ≥ 107, die Signalsequenz für das CEA (DNA-Position ≤ 33 bis ≥ 134) oder die Signalsequenz des Human Respiratory Syncytial Virus Glycoproteins (cDNA der Aminosäuresequenzen ≤ 38 bis ≥ 50 oder 48 bis 65).
- In einer weiteren Ausführungsform enthält die erfindungsgemäße Nukleinsäure am 5'-Ende einen Promotor und/oder Aktivator. Der Aktivator ist vorzugsweise zellspezifisch, zellzyklusspezifisch, metabolisch-spezifisch und/oder durch einen Wirkstoff aktivierbar oder suprimierbar. Derartige Aktivatorsequenzen einschließlich ihrer Kombinationen sind in EP-A 0 790 313, EP-A 0 805 209, EP-A 0 848 063, EP-A 0 848 061, EP-A 0 857 781, EP-A 0 860 445 bzw. EP-A 0 864 651 beschrieben.

In einer bevorzugten Ausführungsform enthält die erfindungsgemäße Nukleinsäure am 5'-Ende des Startkodons die Sequenz GCCACC oder GCCGCC, welche eine Verstärkung der Translation bewirken kann.

25

30

Eine andere Ausführungsform der vorliegenden Erfindung bezieht sich auf einen Vektor enthaltend die erfindungsgemäße Nukleinsäure. Der Vektor kann hierbei ein viraler oder nicht viraler Vektor sein. Ein nicht viraler Vektor ist bevorzugterweise ausgewählt aus einer Gruppe umfassend ein kationisches Lipid, ein kationisches Polymer, ein kationisches Peptid oder ein kationisches Porphyrin.

Ein viraler Vektor ist bevorzugterweise ausgewählt aus einer Gruppe umfassend RTV, AV, AAV, HSV, Vaccinia Virus, Lenti Virus, Influenzavirus.

Zur Herstellung der erfindungsgemäßen Moleküle wird die beschriebene Nukleinsäure in einen Expressionsvektor, beispielsweise ein geeignetes Plasmid kloniert, in eine geeignete Zelle, beispielsweise in eine Bakterien-, Hefe-, Insektenoder Säugerzelle eingebracht, die so transformierte oder transfizierte Zelle kultiviert und das Expressionsprodukt gegebenenfalls isoliert. Die Methoden sind dem Fachmann allgemein bekannt und beispielsweise bei Sambrook J. et al., Molecular Cloning, A Laboratory Handbook 2nd ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989, näher beschrieben.

- In einer besonderen Ausführungsform der vorliegenden Erfindung exprimieren diese Zellen ein erfindungsgemäßes Molekül mit einer Bindestruktur [Komponente a)_n oder c)_o], wobei diese Bindestruktur vorzugsweise eine Transmembrandomäne ist.
- So kann beispielsweise die DNA-Sequenz kodierend für die Transmembransequenz

 des menschlichen Makrophagenkolonie-stimulierenden Faktors (DNA-Position

 ≤ 1485 bis ≥ 1554) oder die DNA-Sequenz kodierend für die Signal- und

 Transmembranregion des menschlichen Respiratory Syncytical Virus (RSV)
 Glykoproteins G (Aminosäuren 1 bis 63 oder deren Teilsequenz Aminosäuren 38 bis
 63) oder die DNA-Sequenz kodierend für die Signal- und Transmembranregion der

 Influenzavirus-Neuraminidase (Aminosäuren 7 bis 35 oder die Teilsequenz

 Aminosäuren 7 bis 27) zwischen der Promotorsequenz und der DNA-Sequenz des

 erfindungsgemäßen Moleküls oder auch am 3'-Ende des Gens eingefügt werden.
- Zur Verankerung des erfindungsgemäßen Moleküls in die Zellmembran der das erfindungsgemäße Molekül exprimierenden Zellen kann jedoch auch eine Nukleotidsequenz kodierend für einen Glykophospholipid-Anker in das Nukleinsäurekonstrukt eingefügt werden.
- Die Einfügung eines Glykophospholipid-Ankers erfolgt im allgemeinen am 3'-Ende der Nukleotidsequenz kodierend für das erfindungsgemäße Molekül und kann zusätzlich zur Einfügung einer Signalsequenz erfolgen.

Glykophospholipid-Anker sind beispielsweise für das CEA, für das N-CAM und für weitere Membranproteine, wie beispielsweise Thy-1, beschrieben worden.

Durch diese Transmembranregion exprimiert die jeweilige Zelle das

erfindungsgemäße Molekül auf der Zellmembran und erhält somit einen "Rezeptor",
der für diejenigen Ziel- oder Effektorstrukturen spezifisch ist, welche durch die
antigenbindenden Teile des erfindungsgemäßen Moleküls erkannt werden.
Eine andere bevorzugte Bindestruktur ist die transmembran- bzw.
signaltransduzierende Domäne eines Rezeptors, beispielsweise der T-Zell-Rezeptor
oder der M-CSF-Rezeptor. Hierdurch kann die das erfindungsgemäße Molekül auf
der Zellmembran exprimierende Zelle durch Bindung der Zielstrukturen zu
spezifischen Funktionen aktiviert werden. Derartige spezifische Funktionen können
beispielsweise eine zytotoxische Reaktion von T-Lymphozyten,
Phagozytosereaktionen von Makrophagen und Granulozyten oder

Exozytosereaktionen von Granulozyten, Monozyten und Makrophagen sein.

Ein anderer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist daher eine Zelle enthaltend eine erfindungsgemäße Nukleinsäure oder eine erfindungsgemäßen Vektor, insbesondere eine Bakterien-, Insekten-, Hefe- oder Säugerzelle. Als Säugerzellen sind neben den allgemein bekannten Zellen zur Expression von Nukleinsäuren, wie z.B. CHO- oder BHK-Zellen, auch ein Lymphozyt, ein Makrophage, eine Gliazelle, eine Epithelzelle, eine Leberzelle, eine Nierenzelle, eine Knochenmarkszelle, eine Endothelzelle, eine glatte oder quergestreifte Muskelzelle oder ein Fibroblast geeignet.

25

30

20

Die zuletzt genannten Zellen sind insbesondere für eine gentherapeutische Anwendung geeignet, da diese Zellen, welche das erfindungsgemäße Nukleinsäurekonstrukt enthalten, einem Patienten lokal oder parenteral, z.B. intravenös, intraarteriell, in eine Körperhöhle, in ein Organ oder subkutan injiziert werden können, um so zur Prophylaxe oder Therapie einer Erkrankung zu dienen.

Für die gentherapeutische Behandlung von Erkrankungen können jedoch auch die erfindungsgemäßen Nukleinsäurekonstrukte direkt dem Patienten lokal, in eine

Körperhöhle, in ein Organ, in das Blutgefäßsystem, subkutan oder intramuskulär verabreicht werden.

Ein anderer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist daher auch ein Arzneimittel enthaltend ein erfindungsgemäßes MVP, eine erfindungsgemäße Nukleinsäure kodierend für ein MVP oder eine erfindungsgemäße Zelle, welche ein MVP exprimiert.

Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist ein Diagnostikum enthaltend ein erfindungsgemäßes Molekül, welches mit seiner Bindestruktur [Komponente a)_n oder c)_o] gegen einen Analyten gerichtet ist.

Das erfindungsgemäße MVP, die erfindungsgemäße Nukleinsäure, der erfindungsgemäße Vektor oder die erfindungsgemäße Zelle eignen sich somit zur Therapie, Prophylaxe oder Diagnose von beispielsweise Tumorerkrankungen, Autoimmunerkrankungen, Entzündungserkrankungen, Erkrankungen des Blutes, insbesondere des Blutgerinnungs- und/oder Blutkreislaufsystems, Erkrankungen des Nervensystems und/oder Infektionserkrankungen.

- Die Wahl der einzelnen Komponenten a)_n, b)m und c)_o richtet sich hierbei im allgemeinen nach der Verwendung der erfindungsgemäßen Gegenstände. Im folgenden werden die einzelnen Komponenten und deren Verwendungen allgemein und beispielhaft näher beschrieben:
- 25 3. Beschreibung der Komponente a)n und/oder Komponente c)o

30

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung enthält die Komponente a und/oder Komponente c)_O bevorzugterweise mindestens ein ganzes Antikörpermolekül oder mindestens ein Epitop-bindendes Fragment eines Antikörpers. Diese Antikörper sind bevorzugt komplett humanen Ursprungs.

Die murinen monoklonalen Antikörper sind bevorzugt in humanisierter Form einzusetzen. Die Humanisierung erfolgt in der von Winter et al. (Nature 349, 293 (1991)) und Hoogenboom et al. (Rev. Tr. Transfus. Hemobiol. 36, 19 (1993)) dargestellten Weise. Antikörperfragmente und rekombinante Fv-Fragmente werden entsprechend dem Stand der Technik, und wie nachfolgend beschrieben, hergestellt.

Die Spezifität des Antikörpers kann gerichtet sein gegen ein oder mehrere gleiche oder unterschiedliche Epitope auf den Hüllproteinen des Virus.

- Antikörper gegen Hüllproteine von Viren, die als Vektoren Verwendung finden können, sind beispielsweise Antikörper gegen das
 - * murine Leukämie Virus
 - * HIV-Virus
 - * Adenovirus
 - * Herpes Simplex Virus
- 15 * Cytomegalovirus
 - * Minute Virus of mice
 - * adenoassoziiertes Virus
 - Sindbis-Virus
 - * Vaccinia Virus

20

25

5

10

In einer weiteren bevorzugten Ausführungsform der Erfindung enthält die Komponente a)_n und/oder c)_o mindestens einen zellexternen Teil eines Fc-Rezeptors. An diesen Fc-Rezeptor bindet über sein Fc-Teil einer der bereits erwähnten Antikörper, welcher mit seinem antigenbindenden Teil direkt oder indirekt an das Genkonstrukt bindet.

In einer weiteren bevorzugen Ausführungsform enthält die Komponente a)_n und/oder c)_o den Rezeptor für das Hüllprotein eines Virus.

- 30 Derartige Rezeptoren sind beispielsweise für folgende Viren beschrieben worden:
 - HIV

* das CD4-Molekül (löslich oder nativ)

- * Galactosylceramid
- * Rezeptoren für Chemokine
- HBV
- 5 * der IL-6 Rezeptor
 - * Annexin oder Apolipoprotein
 - HTLV
 - * der IL-2 Rezeptor (die β- wie auch die γ-Kette)
 - Masern Virus
- 10 * das CD46 Molekül
 - Friend Leukemia Virus
 - * der Erythropoietin Rezeptor
 - Varizella Zoster
 - das Fc-Fragment von humanem Immunglobulin G
- 15 Sendai Virus
 - * das Glycophorin
 - Influenza C-Virus
 - * die N-acetyl-9-acetamido-9-deoxy-neuraminsäure
 - * die 9-0-acetyl-N-acetyl-neuraminsäure
- 20 -- Foot and Mouth Disease Virus
 - * das integrin αVß3
 - EBV
 - * der Complement Rezeptor 2 (CD21)
 - Herpes simplex Virus
- * der 275-kDa Mannose-6-Phosphat-Rezeptor oder der 46-kDa Mannose-6-Phosphat-Rezeptor
 - adenovirales Virus
 - * der CAR (Coxsackie-Adenovirus-Rezeptor)
- In einer weiteren bevorzugten Ausführungsform dieser Erfindung enthält die Komponente a)_n und/oder c)_o mindestens einen Wirkstoff, der zugleich auch eine Bindestruktur für eine Zelle sein kann.

Die Wahl dieses Wirkstoffes richtet sich nach der Erkrankung, welche durch Gabe des MVP oder des das MVP kodierenden Genes verhütet (prophylaktische Anwendung) oder behandelt (therapeutische Anwendung) werden soll. Bei Verabreichung einer Nukleotidsequenz für ein MVP sind die Promotorsequenzen für die Nukleotidsequenz, welche den Wirkstoff kodiert im Hinblick auf die Art der Therapie der Erkrankung und unter Berücksichtigung der zu transduzierenden Zielzelle auszuwählen.

Beispielsweise sind bei folgenden Erkrankungen folgende Wirkstoffe bzw. folgende
Kombinationen von Promotorsequenzen (Beispiele siehe Abschnitt CI) und
Nukleotidsequenzen kodierend für die Wirkstoffe zu wählen (eine detaillierte
Beschreibung erfolgte bereits in den Patentanmeldungen EP-A 0 804 601, EP-A 0
790 313, EP-A 0 805 209, EP-A 0 848 063 und EP-A 0 848 061, auf die Bezug
genommen wird).

15

25

30

Therapie von Tumoren

- 1) Zielzellen:
 - proliferierende Endothelzellen oder
 - der Endothelzelle benachbarte Stromazellen und Muskelzellen oder
- 20 Tumorzellen oder Leukämiezellen
 - 2) Promotoren:
 - endothelzellspezifisch und zellzyklusspezifisch oder
 - zellunspezifisch oder muskelzellspezifisch und zellzyklusspezifisch oder
 - tumorzellspezifisch (solide Tumoren, Leukämien) und zellzyklusspezifisch
 - 3) Wirkstoffe oder deren Nukleotidsequenzen:
 - 3a) Inhibitoren der Zellproliferation, zum Beispiel
 - das Retinoblastomprotein (pRb=p110) oder die verwandten p107 und p130 Proteine

Das Retinoblastomprotein (pRb/p110) und die verwandten p107 und p130 Proteine werden durch Phosphorylierung inaktiviert. Bevorzugt sind solche Gene dieser Zellzyklusinhibitoren zu verwenden, welche

10

20

Mutationen für die Inaktivierungsstellen der exprimierten Proteine aufweisen, ohne daß diese hierdurch in ihrer Funktion beeinträchtigt werden. Beispiele für diese Mutationen wurden beschrieben für das p110.

In analoger Weise wird die DNA-Sequenz für das p107 Protein oder das p130 Protein mutiert.

- das p53 Protein

Das Protein p53 wird in der Zelle inaktiviert entweder durch Bindung an spezielle Proteine, wie beispielsweise MDM2, oder durch

Oligomerisierung des p53 über das dephosphorylierte C-terminale Serin. Bevorzugt wird somit eine DNA-Sequenz für ein p53 Protein verwendet, welches C-terminal verkürzt ist um das Serin 392.

- das p21 (WAF-1)
- das p16 Protein
- 15 andere cdk-Inhibitoren
 - das GADD45 Protein
 - das bak Protein
 - 3b) Gerinnung induzierende Faktoren und Angiogeneseinhibitoren, zum Beispiel:
 - Plasminogenaktivatorinhibitor-1 (PAI-1)
 - PAI-2
 - PAI-3
 - Angiostatin, Endostatin
- 25 Interferone (IFNα, IFNß oder IFNγ)
 - Platelet factor 4
 - IL-12
 - TIMP-1
 - TIMP-2
- 30 TIMP-3
 - Leukemia Inhibitory Factor (LIF)
 - Tissue Factor (TF) und dessen gerinnungsaktive Fragmente

- 3c) zytostatische und zytotoxische Proteine, zum Beispiel
 - Perforin
 - Granzym
 - IL-2
- 5 IL-4

20

25

30

- IL-12
- Interferone, wie beispielsweise IFN-α, IFNß oder IFNγ
- TNF, wie TNFα oder TNFβ

Heat Shock Proteinen

- Oncostatin M
- 10 Sphingomyelinase
 - Magainin und Magainin-Derivate
 - 3d) zytostatische oder zytotoxische Antikörper und Fusionsproteine zwischen antigenbindenden Antikörperfragmenten mit zytostatischen, zytotoxischen oder entzündungserregenden Proteinen oder Enzymen.
 - Zu den zytostatischen oder zytotoxischen Antikörpern gehören solche gerichtet gegen Membranstrukturen von Endothelzellen wie sie beispielsweise von Burrows et al. (Pharmac. Ther. <u>64</u>, 155 (1994)), Hughes et al., (Cancer Res. <u>49</u>, 6214 (1989)) und Maruyama et al., (PNAS USA <u>87</u>, 5744 (1990)) beschrieben wurden. Insbesondere zählen hierzu Antikörper gegen die VEGF-Rezeptoren.
 - Des weiteren gehören hierzu zytostatische oder zytotoxische Antikörper gerichtet gegen Membranstrukturen auf Tumorzellen. Derartige Antikörper wurden zum Beispiel von Sedlacek et al., Contrib. to Oncol. 32, Karger Verlag, München (1988) und Contrib. to Oncol. 43, Karger Verlag, München (1992) übersichtlich dargestellt. Weitere Beispiele stellen dar Antikörper gegen Sialyl Lewis; gegen Peptide auf Tumoren, welche von T-Zellen erkannt werden; gegen von Onkogenen exprimierte Proteine; gegen Ganglioside wie GD3, GD2, GM2, 9-0-acetyl GD3, Fucosyl GM1; gegen Blutgruppenantigene und deren Vorläufer; gegen Antigene auf dem polymorphen epithelialen Mucin; gegen Antigene auf

10

Des weiteren gehören hierzu Antikörper gerichtet gegen Membranstrukturen von Leukämiezellen. Eine große Anzahl derartiger monoklonaler Antikörper sind bereits für diagnostische und therapeutische Verfahren beschrieben worden (Übersichten bei Kristensen, Danish Medical Bulletin 41, 52 (1994); Schranz, Therapia Hungarica 38, 3 (1990); Drexler et al., Leuk. Res. 10, 279 (1986); Naeim, Dis. Markers 7, 1 (1989); Stickney et al., Curr.. Opin. Oncol. 4, 847 (1992); Drexler et al., Blut 57, 327 (1988); Freedman et al., Cancer Invest. 9, 69 (1991)). Je nach Typ der Leukämie sind als Liganden beispielsweise monoklonalen Antikörper oder deren antigenbindende Antikörperfragmente gerichtet gegen folgende Membranantigene geeignet:

Zellen	Membranantigen
AML	CD13 CD15 CD33
	CAMAL
	Sialosyl-Le
B-CLL	CD5 CD1c CD23 Idiotypen und Isotypen der Membranimmunglobuline
T-CLL	CD33 M38 IL-2-Rezeptoren T-Zell-Rezeptoren
ALL	CALLA CD19 Non-Hodgkin Lymphoma

Die Humanisierung muriner Antikörper, die Herstellung und Optimierung der Gene für Fab und rek. Fv Fragmente erfolgt entsprechend der dem Fachmann bekannten Technik (Winter et al., Nature 349, 293 (1991); Hoogenboom et al., Rev. Tr. Transfus. Hemobiol. 36, 19 (1993); Girol. Mol.

Immunol. <u>28</u>, 1379 (1991) oder Huston et al., Intern. Rev. Immunol. <u>10</u>, 195 (1993)). Die Fusion der rek. Fv-Fragmente mit Genen für zytostatische, zytotoxische oder entzündungserregende Proteinen oder Enzymen erfolgt gleichermaßen entsprechend dem dem Fachmann bekannten Stand der Technik.

3e) Induktoren von Entzündungen, zum Beispiel

- IL-1
- IL-2
- 10 RANTES (MCP-2)
 - monocyte chemotactic and activating factor (MCAF)
 - IL-8
 - macrophage inflammatory protein-1 (MIP-1α, -β)
 - neutrophil activating protein-2 (NAP-2)
- 15 IL-3
 - IL-5
 - human leukemia inhibitory factor (LIF)
 - IL-7
 - IL-11
- 20 -- iL-13

25

30

- GM-CSF
- G-CSF
- M-CSF
- Cobra venom factor (CVF) oder Teilsequenzen vom CVF, welche dem menschlichen Komplementfaktor C3b funktionell entsprechen, d.h.
 welche an den Komplementfaktor B binden können und nach Spaltung durch den Faktor D eine C3 Konvertase darstellen
- der menschliche Komplementfaktor C3 oder seine Teilsequenz C3b
- Spaltprodukte des menschlichen Komplementfaktors C3, welche funktionell und strukturell dem CVF ähneln
- bakterielle Proteine, welche Komplement aktivieren oder Entzündungen auslösen, wie beispielsweise Porine von salmonella typhimurium,

"clumping" Faktoren von staphylococcus aureus, Moduline besonders von gram-negativen Bakterien, "Major outer membrane protein" von Legionellen oder von haemophilus influenzaeTyp B oder von Klebsiellen oder M-Moleküle von Streptokokken Gruppe G.

5

- 3f) Enzyme für die Aktivierung von Vorstufen von Zytostatika, zum Beispiel für Enzyme, welche inaktive Vorsubstanzen (Prodrugs) in aktive Zytostatika (Drugs) spalten.
- Derartige Substanzen und die jeweils zugehörigen Prodrugs und Drugs sind bereits von Deonarain et al. (Br. J. Cancer <u>70</u>, 786 (1994)), Mullen,

(Pharmac. Ther. <u>63</u>, 199 (1994)) und Harris et al. (Gene Ther. <u>1</u>, 170 (1994)) übersichtlich beschrieben worden. Beispielsweise ist die DNA-Sequenz eines der folgenden Enzyme zu verwenden:

- Herpes Simplex Virus thymidinkinase
- Varizella Zoster Virus Thymidinkinase
- bakterielle Nitroreduktase

20

15

- bakterielle ß-Glucuronidase
- pflanzliche ß-Glucuronidase aus Secale cereale
- humane ß-Glucuronidase
- humane Carboxypeptidase (CB) zum Beispiel CB-A der Mastzelle, CB-B des Pankreas oder bakterielle Carboxypeptidase

25

- bakterielle ß-Laktamase
- bakterielle Cytosine deaminase
- humane Catalase bzw. Peroxidase
- Phosphatase, im besonderen humane alkalische Phosphatase, humane saure Prostataphosphatase oder Typ 5 saure Phosphatase

30

 Oxidase, im besonderen humane Lysyloxidase oder humane Daminosäure oxidase

- Peroxidase, im besonderen humane Glutathion Peroxidase, humane
 Eosinophilen Peroxidase oder humane Schilddrüsen Peroxidase
- Galaktosidase
- 5 Therapie von Autoimmunerkrankungen und Entzündungen (eine detaillierte Beschreibung erfolgte bereits in der Patentanmeldung EP-A 0 807 183 und EP-A 0 848 061, auf die Bezug genommen wird)
 - 1) Zielzellen:
- 10 proliferierende Endothelzellen oder
 - Makrophagen und/oder Lymphozyten oder
 - Synovialzellen
- 15 2) Promotoren:
 - endothelzellspezifisch und Zellzyklusspezifisch oder
 - makrophagen- und/oder lymphozytenspezifisch und/oder zellzyklusspezifisch oder
 - synovialzellspezifisch und/oder Zellzyklusspezifisch

- 3) Wirkstoffe oder deren Nukleotidsequenzen3a)Wirkstoffe zur Therapie von Allergien, zum Beispiel
 - IFNS
 - IFNy
- 25
- IL-10
- Antikörper bzw. Antikörperfragmente gegen IL-4
- lösliche IL-4-Rezeptoren
- IL-12
- TGFB

30

3b) Wirkstoffe zur Verhinderung der Abstoßung von transplantierten Organen, zum Beispiel

- IL-10
- TGFB
- lösliche IL-1-Rezeptoren
- lösliche IL-2-Rezeptoren
- 5 IL-1-Rezeptorantagonisten
 - lösliche IL-6-Rezeptoren
 - immunsuppressive Antikörper oder deren V_H und V_L enthaltende
 Fragmente oder deren über einen Linker verbundene V_H- und V_LFragmente. Immunsuppressive Antikörper sind beispielsweise Antikörper
 spezifisch für den T-Zell-Rezeptor oder seinen CD3-Komplex, gegen CD4
 oder CD8 des weiteren gegen den IL-2-Rezeptor, IL-1-Rezeptor oder IL4-Rezeptor oder gegen die Adhäsionsmoleküle CD2, LFA-1, CD28 oder
 CD40
- 15 3c) Wirkstoffe zur Therapie von Antikörper-mediierten Autoimmunerkrankungen, zum Beispiel
 - TGFß
 - IFNα
 - IFNß
- 20 IFNγ

25

- IL-12
- lösliche IL-4-Rezeptoren
- lösliche IL-6-Rezeptoren
- immunsuppressive Antikörper oder deren V_{H} und V_{L} -enthaltende Fragmente
- 3d) Wirkstoffe zur Therapie von Zell-mediierten Autoimmunerkrankungen, zum Beispiel
 - IL-6
- 30 IL-9
 - IL-10
 - IL-13

15

25

30

- TNFα oder TNFß
- einen immunsuppressiven Antikörper oder dessen V_H- und V_Lenthaltende Fragmente
- 5 3e) Inhibitoren der Zellproliferation, zytostatische oder zytotoxische Proteine und Enzyme für die Aktivierung von Vorstufen von Zytostatika

Beispiele für Wirkstoffe oder für Gene kodierend für derartige Proteine sind bereits im Abschnitt "Strukturgene für die Therapie von Tumoren" aufgeführt.

In gleicher Form wie dort bereits beschrieben, können im Sinne der Erfindung Wirkstoffe verwendet werden, welche Fusionsproteine aus Antikörpern bzw. Fab oder rek. Fv-Fragmenten dieser Antikörper oder anderen Liganden spezifisch für die Zielzelle und den o.a. Cytokinen, Wachstumsfaktoren, Rezeptoren, zytostatischen oder zytotoxischen Proteinen und Enzymen darstellen.

3f) Wirkstoffe zur Therapie der Arthritis

20

Im Sinne der Erfindung werden Wirkstoffe bzw. deren Nukleinsäuresequenzen ausgewählt, die die Entzündung beispielsweise im Gelenk direkt oder indirekt hemmen und/oder die Rekonstitution von extrazellulärer Matrix (Knorpel, Bindegewebe) im Gelenk fördem.

Hierzu gehören zum Beispiel

- IL-1-Rezeptorantagonist (IL-1-RA);
 IL-1-RA inhibiert die Bindung von IL-1α, β.
- löslicher IL-1-Rezeptor;
 löslicher IL-1-Rezeptor bindet und inaktiviert IL-1
- IL-6
 IL-6 erhöht die Sekretion von TIMP und Superoxiden und vermindert die Sekretion von IL-1 und TNFα durch Synovialzellen und Chondrozyten

- löslicher TNF-Rezeptor
 löslicher TNF-Rezeptor bindet und inaktiviert TNF.
- IL-4

IL-4 inhibiert die Bildung und Sekretion von IL-1, TNFα und MMP

5 - IL-10

IL-10 inhibiert die Bildung und Sekretion von IL-1, TNF α und MMP und erhöht die Sekretion von TIMP

- Insulin-like growth factor (IGF-1)
 IGF-1 stimuliert die Synthese von extrazellulärer Matrix.
- TGFß, im speziellen TGFß1 und TGFß2
 TGFß stimuliert die Synthese von extrazellulärer Matrix.
 - Superoxiddismutase
 - TIMP, im speziellen TIMP-1, TIMP-2 oder TIMP-3
- 15 Therapie der mangelhaften Bildung von Zellen des Blutes (eine detaillierte Beschreibung erfolgte bereits in der Patentanmeldung EP A 0 807 183, auf die Bezug genommen wird)
 - 1) Zielzellen:
- 20 prolife
 - proliferierende, unreife Zellen des blutbildenden Systems oder
 - Stromazellen benachbart den blutbildenden Zellen
 - 2) Promotoren:
 - spezifisch für blutbildende Zellen und/oder Zellzyklusspezifisch
- 25 zellunspezifisch und zellzyklusspezifisch
 - 3) Wirkstoffe oder deren Nukleinsäuresequenzen:
 - 3a) Wirkstoffe zur Therapie der Anämie, zum Beispiel
 - Erythropoietin
- 30 3b) Wirkstoffe zur Therapie der Leukopenie, zum Beispiel
 - G-CSF
 - GM-CSF

- M-CSF

- 3c) Wirkstoffe zur Therapie der Thrombozytopenie, zum Beispiel
 - IL-3
- 5 Leukemia Inhibitory Factor (LIF)
 - IL-11
 - Thrombopoietin

Therapie von Schäden des Nervensystems

- 10 1) Zielzellen:
 - Gliazellen oder
 - proliferierende Endothelzellen
 - 2) Promotoren:
- 15 Gliazell-spezifisch und zellzyklusspezifisch oder
 - Endothelzell-spezifisch und Zellzyklusspezifisch oder
 - unspezifisch und Zellzyklusspezifisch
 - 3) Wirkstoffe oder deren Nukeinsäuresequenzen:
- 20 3a) neuronale Wachstumsfaktoren, zum Beispiel
 - FGF
 - Nerve growth factor (NGF)
 Brain-derived neurotrophic factor (BDNF)
 - Neurotrophin-3 (NT-3)
- 25 Neurotrophin-4 (NT-4)
 - Ciliary neurotrophic factor (CNTF)
 - 3b) Enzyme, zum Beispiel
 - Tyrosinhydroxylase
- 30 Dopadecarboxylase

- 3c) Cytokine und deren Inhibitoren, welche die neurotoxische Wirkung von $\mathsf{TNF}\alpha$ inhibieren oder neutralisieren, zum Beispiel
 - TGFß
 - lösliche TNF-Rezeptoren
- 5 TNF-Rezeptoren neutralisieren TNFα
 - IL-10 IL-10 inhibiert die Bildung von IFN γ , TNF α , IL-2 und IL-4
 - lösliche IL-1-Rezeptoren
 - IL-1-Rezeptor I
- 10 IL-1-Rezeptor II
 - lösliche IL-1-Rezeptoren neutralisieren die Aktivität von IL-1
 - IL-1-Rezeptor-Antagonist
 - lösliche IL-6-Rezeptoren
- Therapie von Störungen des Blutgerinnungs- und Blutkreislaufsystems (eine detaillierte Beschreibung erfolgte bereits in den Patentanmeldungen EP-A 0 777 739, EP-A 0 805 209 und EP-A 0 848 063, auf welche Bezug genommen wird)
 - 1) Zielzellen:
 - Endothelzellen oder
- 20 proliferierende Endotheizellen oder
 - somatische Zellen in Nachbarschaft von Endothelzellen und glatte
 Muskelzellen oder
 - Makrophagen
- 25 2) Promotoren:
 - zellunspezifisch und zellzyklusspezifisch oder
 - spezifisch für Endothelzellen, glatte Muskelzellen oder Makrophagen und zellzyklusspezifisch
- 30 3) Wirkstoffe oder deren Nukleinsäuresequenzen
 - 3a) Wirkstoffe zur Inhibition der Gerinnung oder für die Förderung der Fibrinolyse, zum Beispiel

	21
	 Tissue Plasminogen Activator (tPA)
	 Urokinase-type Plasminogen Activator (uPA)
	Hybride von tPA und uPA
	- Protein C
5	 Hirudin und Analoga von Hirudin
	 Serin Proteinase Inhibitoren (Serpine), wie beispielsweise C-1S-
	Inhibitor, α 1-Antitrypsin oder Antithrombin III
	Tissue Factor Pathway Inhibitor (TFPI)
10	3b) Wirkstoffe zur Förderung der Gerinnung, zum Beispiel
	- FVIII
	- FIX
	 von Willebrand factor
	- F XIII
15	- PAI-1
	PAI-2
	 Tissue Factor and Fragmente hiervon
	3c)Angiogenesefaktoren, zum Beispiel
20	- VEGF (1-4)
	- FGF
	- TIE-2
	3d) Wirkstoffe zur Blutdrucksenkung, zum Beispiel
25	Kallikrein
	Endothelzell "nitric oxide synthase"
	3e) Wirkstoffe zur Inhibition der Proliferation von glatten Muskelzellen nach
	Verletzungen der Endothelschicht, zum Beispiel
30	 ein antiproliferatives, zytostatisches oder zytotoxisches Protein oder

- ein Enzym zur Aufspaltung von Vorstufen von Zytostatika in Zytostatika wie bereits oben (unter Tumor) aufgeführt oder

- ein Fusionsprotein eines dieser Wirkstoffe mit einem Liganden,
 beispielsweise einem Antikörper oder Antikörperfragmenten spezifisch für Muskelzellen
- 5 3f) Blutplasmaproteine, zum Beispiel
 - Albumin
 - C1-Inaktivator
 - Serum Cholinesterase
 - Transferrin
- 10 1-Antitrypsin

Impfungen

(eine detaillierte Beschreibung erfolgte bereits in den Patentanmeldungen EP-A 0 807 183, EP-A 0 805 209, EP-A 0 848 063 und EP-A 0 848 061, auf welche Bezug genommen wird)

- 1) Zielzellen:
 - Muskelzellen oder
 - Makrophagen, dendritische Zellen und/oder Lymphozyten
- 20 2) Promotoren:
 - unspezifisch und zellzyklusspezifisch oder
 - zielzellspezifisch und zellzyklusspezifisch
 - 3) Wirkstoffe oder deren Nukleinsäuresequenzen:
- 3a) Wirkstoffe zur Prophylaxe von Infektionserkrankungen

Die Möglichkeiten, auf konventionellem Wege wirkungsvolle Impfstoffe herzustellen, sind beschränkt.

Die erfindungsgemäßen MVP, enthaltend ein Protein zur Prophylaxe von Infektionserkrankungen, versprechen eine größere Wirksamkeit aufzuweisen als konventionelle Impfstoffantigene.

Des weiteren verspricht eine Nukleinsäuresequenz, kodierend für ein MVP, enthaltend ein Impfstoffantigen, eine größere Wirksamkeit zu

besitzen, als eine konventionelle DNA Vakzine. Deren Wirksamkeit ist eingeschränkt (Fynan et al., Int. J. Immunopharm. <u>17</u>, 79 (1995); Donnelly et al., Immunol. <u>2</u>, 20 (1994)).

Als Wirksubstanz ist ein vom Infektionserreger gebildetes Protein (oder die dieses Protein kodierende Nukleinsäuresequenz) auszuwählen, welches durch Auslösung einer Immunreaktion, d.h. durch Antikörperbindung und/oder durch zytotoxische T-Lymphozyten zur Neutralisierung und/oder zur Abtötung des Erregers führt. Derartige sogenannte

Neutralisationsantigene werden als Impfantigene bereits angewandt (siehe Übersicht bei Ellis, Adv. Exp. Med. Biol. 327, 263 (1992)).

Bevorzugt im Sinne der Erfindung werden als Wirkstoffe die Neutralisationsantigene (oder deren Nukleinsäuresequenzen) folgender Erreger ausgewählt:

- Influenza A-Virus
- HIV

15

- Tollwut-Virus
- HSV (Herpes Simplex Virus)
- 20 RSV (Respiratory Syncytial Virus)
 - Parainfluenza-Virus
 - Rotavirus
 - VZV (Varizella Zoster Virus)
 - CMV (Cytomegalo-Virus)
- 25 Masern-Virus
 - HPV (Humanes Papillomvirus)
 - HBV (Hepatitis B-Virus)
 - HCV (Hepatitis C-Virus)
 - HDV (Hepatitis D-Virus)
- 30 HEV (Hepatitis E-Virus)
 - HAV (Hepatitis A-Virus)
 - vibrio Cholerae-Antigen
 - borrelia Burgdorferi
 - helicobacter pylori
- 35 Malaria-Antigen
 - Zu derartigen Wirksubstanzen im Sinne der Erfindung gehört jedoch auch ein Antiidiotyp-Antikörper oder dessen Antigen-bindenden

10

15

20

25

35

Fragmente, dessen Antigenbindungsstrukturen (die "complementarity determining regions") Kopien der Protein- oder Kohlenhydratstruktur des Neutralisationsantigens des Infektionserregers darstellen.

Derartige Antiidiotyp-Antikörper können besonders Kohlenhydratantigene bei bakteriellen Infektionserregern ersetzen.

Derartige antiidiotypische Antikörper und ihre Spaltprodukte wurden von Hawkins et al. (J. Immunother. 14, 273 (1993)) und Westerink und Apicella (Springer Seminars in Immunopathol. 15, 227 (1993)) übersichtlich beschrieben.

- 3b) Wirkstoffe für "Tumorvakzinen"
 - Hierzu gehören Antigene auf Tumorzellen. Derartige Antigene wurden zum Beispiel von Sedlacek et al., Contrib. to Oncol. 32, Karger Verlag, München (1988) und Contrib. to Oncol 43, Karger Verlag, München (1992) übersichtlich dargestellt.

Weitere Beispiele stellen die Gene für folgende Antigene bzw. für folgende Antiidiotypantikörper dar:

- Sialyl Lewis ?
- Peptide auf Tumoren, welche von T-Zellen erkannt werden
- von Onkogenen exprimierte Proteine
- Blutgruppenantigene und deren Vorläufer
- Antigene auf dem polymorphen epithelialen Mucin
- Antigene auf Heat Shock Proteinen

die Therapie von chronischen Infektionserkrankungen

(eine detaillierte Beschreibung erfolgte bereits in den Patentanmeldungen EP-A

0 807 183, EP-A 0 805 209, EP-A 0 848 063 und EP-A 0 848 061, auf welche Bezug
genommen wird)

- 1) Zielzelle:
 - Leberzelle
- Lymphozyt und/oder Makrophage
 - Epithelzelle

- Endothelzelle

2) Promotoren:

virusspezifisch oder zellspezifisch und zellzyklusspezifisch

5

- 3) Wirkstoffe oder deren Nukleinsäuresequenzen:
 - 3a)Wirkstoffe, beispielsweise
 - ein Protein, welches zytostatische, apoptotische oder zytotoxische Wirkungen aufweist.

10

15

- ein Enzym, welches eine Vorstufe einer antiviralen oder zytotoxischen Substanz in die aktive Substanz spaltet.
- 3b) antivirale Wirkstoffe
 - antiviral wirksame Cytokine und Wachstumsfaktoren. Hierzu zählen beispielsweise IFNα, IFNß, IFN-γ, TNFß, TNFα, IL-1 oder TGFß
 - Antikörper einer Spezifität, die das jeweilige Virus inaktiviert oder dessen VH und VL enthaltende Fragmente oder dessen über einen Linker verbundene V_H und V_L Fragmente herstellt wie bereits beschrieben.
- 20 Antikörper gegen Virusantigen sind beispielsweise:

anti HBV

anti HCV

anti HSV

25 anti HPV

anti HIV

anti EBV

anti HTLV

Anti Coxsackie Virus

anti Hantaan Virus 30

> - ein Rev bindendes Protein. Diese Proteine binden an die Rev-RNA und inhibieren Rev-abhängige posttranskriptionelle Stufen der Retrovirus-Genexpression. Beispiele für Rev-bindende Proteine sind:

35

RBP9-27

RBP1-8U

RBP1-8D

Pseudogene von RBP1-8

- Ribozyme, welche die mRNA von Genen für Zellzykluskontrollproteine oder die mRNA von Viren verdauen. Ribozyme katalytisch für HIV wurden beispielsweise von Christoffersen et al., J. Med. Chem. 38, 2033 (1995) übersichtlich beschrieben.
- 3c) antibakterielle Wirkstoffe

Zu den antibakteriellen Proteinen gehören beispielsweise Antikörper, die bakterielle Toxine neutralisieren oder Bakterien opsonieren. Beispielsweise gehören hierzu Antikörper gegen

Meningokokken C oder B

15 E. coli

Borrelia

Pseudomonas

helicobacter pylori staphylococcus aureus

20

5

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung kann die Komponente a)_n und/oder c)_o einen Wirkstoff, einen Teil des Wirkstoffes oder ein Analogon des Wirkstoffes enthalten, welcher an einen Rezeptor der Zielzelle bindet.

- 25 Derartige Wirkstoffe sind beispielsweise:
 - Wachstumsfaktoren wie VEGF, PDGF, EGF, TGFα, TGFβ, KGF, SDGF, FGF,
 IGF, HGF, NGF, BDNF, Neurotrophine, BMF, Bombesin, M-CSF, Thrombopoietin,
 Erythropoietin, SCF, SDGF, Oncostatin, PDEGF, Endothelin-1
- 30 Cytokine wie IL-1, IL-2, IL-3, IL-4, IL-5, IL-6, IL-7, IL-8, IL-9, IL-10, IL-11, IL-12, IL-13, IL-14, IL-15
 - Interferon α , β und γ
 - Tumornekrosisfaktoren TNFα, -β
 - Chemokine wie RANTES, MCAF, MIP-1α oder -β, NAP, β-Thromboglobulin

- Peptidhormone wie SRH, SIH oder STH, MRH oder MSH, PRH, PIH oder
 Prolaktin, GnRH, LH-RH, FSH-RH, LH/ICSH oder FSH, TRH oder TSH, CRH oder
 ACTH
- Angiotensin, Kinine, Histamin, Homologe oder Analoge hiervon
- Steroidhormone wie Östrogene, Gestagene, Androgene, Glukokortikoide,
 Mineralokortikoide, Homologe oder Analoge hiervon
 - Vitamine wie z.B. Folsäure

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung kann die Komponente a)_n und/oder c)_o auch ein Adhäsionsmolekül, ein Teil des Adhäsionsmoleküls oder ein Analogon eines Adhäsionsmoleküls sein, welches an ein korrespondierendes zellmembranständiges Adhäsionsmolekül oder an eine andere spezifische Bindestruktur für ein Adhäsionsmolekül auf der Zielzelle bindet.

- Derartige als Komponente a)_n und/oder c)_o funktionsfähige Adhäsionsmoleküle sind beispielsweise
 - lewis X (für GMP-140)
 - S-lewis X (für ELAM-1).
- 20 LFA-1 (für ICAM-1 und ICAM-2)
 - MAC-1 (für ICAM-1)
 - VLA-4 (für VCAM-1)
 - PECAM (für PECAM)
 - Vitronectin (für den Vitronectinrezeptor)
- 25 GMP-140 (für lewis X)
 - S-lewis X (für ELAM-1)
 - ICAM-1, ICAM-2 (für LFA-1, MAC-1)
 - VCAM-1 (für VLA-4)
 - Fibronectin (für VLA-4)
- 30 Laminin (für VLA-6)
 - Fibronectin, Laminin (für VLA-1, VLA-2, VLA-3)
 - Fibronectin (für VLA-4)

- Fibrinogen (für GPIIb-IIIa)
- B7 (für CD28)
- CD28 (für B7)
- CD40 (für CD40L)
- 5 CD40L (für CD40)

Im Rahmen der vorliegenden Verbindung kann die Komponente a)_n und/oder c)_o auch der extrazelluläre Teil eines Fc-Rezeptors sein (Dougherty et al., Transfusion Science <u>17</u>, 121 (1996)), an welchem ein Antikörper spezifisch für die Zielzelle über seinen Fc-Teil gebunden wird.

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung kann die Komponente c)_O auch ein Antikörpermolekül oder der epitopbindende Teil eines Antikörpermoleküls sein.

- Die murinen monoklonalen Antikörper sind bevorzugt in humanisierter Form einzusetzen. Die Humanisierung erfolgt in der von Winter et al. (Nature 349, 293 (1991) und Hoogenboom et al. (Rev. Tr. Transfus. Hemobiol. 36, 19 1993)) dargestellten Weise. Antikörperfragmente werden entsprechend dem Stand der Technik hergestellt, beispielsweise in der von Winter et al., Nature 349, 293 (1991),
 Hoogenboom et al., Rev. Tr. Transfus. Hemobiol. 36, 19 (1993), Girol, Mol. Immunol. 28, 1379 (1991) oder Huston et al., Int. Rev. Immunol. 10, 195 (1993) beschriebenen Weise.
- Rekombinante Antikörperfragmente werden direkt aus existierenden Hybridomen

 hergestellt oder werden mit Hilfe der "phage display"-Technologie aus Bibliotheken
 muriner bzw. Humaner Antikörperfragmente isoliert. Diese Antikörperfragmente
 werden dann auf genetischer Ebene direkt für weiter Manipulationen (z.B. der Fusion
 mit anderen Proteinen) eingesetzt.
- 30 Zur Herstellung von rekombinanten Antikörperfragmenten aus Hybridomen wird die genetische Information, die für die antigenbindenden Domänen (VH, VL) der Antikörper kodiert, durch Isolierung der mRNA, die reverse Transkription der RNA in

cDNA und die anschließende Amplifikation mittels Polymerasekettenreaktion und Oligonukleotiden komplementär zu den 5'- bzw. 3'-Enden der variablen Fragmente gewonnen. Die VH- und VL-Fragmente werden dann in bakterielle Expressionsvektoren z.B. in Form von Fv-Fragmenten, einzelkettigen Fv-Fragmenten (scFv) oder als Fab-Fragmente kloniert.

5

10

15

20

Neue Antikörperfragmente können mittels der "phage-display"-Technologie auch direkt aus Antikörperbibliotheken (Immunbibliotheken, naive Bibliotheken) murinen oder humanen Ursprungs isoliert werden. Beim "phage display" von Antikörperfragmenten werden die antigenbindenden Domänen als Fusionsproteine mit dem Hüllprotein g3P filamentöser Bakteriophagen entweder in das Phagengenom oder in Phagemid-Vektoren in Form von scFv-Fragmenten oder als Fab-Fragmente kloniert. Antigen-bindende Phagen werden an antigenbeladenen Plastikgefäßen (panning), an antigenkonjugierten, paramagnetischen "beads" oder durch Bindung an Zelloberflächen selektioniert.

Immunbibliotheken werden hergestellt durch PCR-Amplifikation der variablen Antikörperfragmente aus B-Lymphozyten immunisierter Tiere oder Patienten. Dazu werden Kombinationen von Oligonukleotiden die spezifisch sind für murine oder humane Immunglobulingene bzw. für die humanen Immunglobulin-Genfamilien verwendet.

Unter Verwendung nichtimmunisierter Spender als Quelle der Immunglobulingene lassen sich naive Bibliotheken herstellen. Alternativ können ImmunglobulinKeimbahngene zur Herstellung semisynthetischer Antikörperrepertoires eingesetzt werden, wobei die Komplementarität-bestimmende Region 3 der variablen Fragmente durch PCR mit Hilfe degenerierter Primer ergänzt wird. Diese sogenannten "single pot"-Bibliotheken haben gegenüber Immunbibliotheken den Vorteil, daß Antikörperfragmente gegen eine Vielzahl von Antigenen aus einer einzigen Bibliothek isoliert werden können.

Die Affinität von Antikörperfragmenten kann mittels der "phage display"-Technologie weiter erhöht werden, wobei neue Bibliotheken von bereits existierenden

Antikörperfragmenten durch zufällige, kodonbasierende oder gezielte Mutagenese, durch "chain shuffling" einzelner Domänen mit Fragmenten aus naiven Repertoires oder unter Zuhilfenahme von bakteriellen Mutatorstämmen hergestellt werden und durch Reselektion unter stringenten Bedingungen Antikörperfragmente mit

5 verbesserten Eigenschaften isoliert werden. Zusätzlich können murine Antikörperfragmente durch stufenweisen Austausch einer der variablen Domänen gegen ein humanes Repertoire und anschließende Selektion mit dem ursprünglichen Antigen ("guided selection") humanisiert werden. Alternativ erfolgt die Humanisierung muriner Antikörper durch zielgerichteten Austausch der

10 hypervariablen Regionen humaner Antikörpers.

Entsprechend der Erfindung sollen mindestens zwei gleiche oder unterschiedliche Bindestrukturen für die Zielzelle [Komponente c)₀] im erfindungsgemäßen Liganden enthalten sein. Eine besondere Form von bispezifischen oder multispezifischen, rekombinanten Antikörpern stellen einzelkettige, zweifach- oder mehrfachantigenbindende Moleküle dar. Die Herstellung dieser Moleküle wurde in der Patentanmeldung DE 198161417 (nicht veröffentlicht) beschrieben. Auf diese Patentanmeldung wird zur beispielsweisen Herstellung der Komponente c)₀ ausdrücklich Bezug genommen.

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung kann die Komponente c)o auch das Hüllprotein oder ein Teil des Hüllproteins von Viren darstellen, welche über ihr Hüllprotein an ausgewählte Zellen spezifisch binden.

25

15

20

Die Wahl der Bindestruktur für eine Zielzelle richtet sich nach der Zielzelle, an welche das MVP binden soll.

Als Beispiele hierfür gelten:

30

- Bindestrukturen für aktivierte Endothelzellen

10

Hierzu gehören im Sinne der Erfindung Antikörper oder Antikörperfragmente, gerichtet gegen Membranstrukturen von Endothelzellen wie sie beispielsweise von Burrows et al. (Pharmac. Ther. <u>64</u>, 155 (1994), Hughes et al. (Cancer Res. <u>49</u>, 6214 (1989) und Maruyama et al. (PNAS-USA <u>87</u>, 5744 (1990)) beschrieben wurden. Insbesondere zählen hierzu Antikörper gegen die VEGF-Rezeptoren.

Zu den Bindestrukturen gehören des weiteren alle Wirkstoffe, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf Endothelzellen binden. Beispielsweise gehören hierzu Substanzen, die endständig Mannose enthalten des weiteren IL-1 oder Wachstumsfaktoren oder deren Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch Endothelzellen binden, wie beispielsweise PDGF, bFGF, VEGF, TGFβ (Pusztai et al., J. Pathol. 169, 191 (1993)).

Des weiteren gehören hierzu Adhäsionsmoleküle, welche an aktivierte und/oder proliferierende Endothelzellen binden. Derartige Adhäsionsmoleküle, wie beispielsweise Slex, LFA-1, MAC-1, LECAM-1, VLA-4, Vitronectin oder RGD-Peptide wurden bereits beschrieben (Übersichten bei Augustin-Voss et al., J. Cell Biol. 119, 483 (1992), Pauli et al., Cancer Metast. Rev. 9, 175 (1990), Honn et al., Cancer Metast. Rev. 11, 353 (1992)).

Zu den Bindestrukturen im Sinne dieser Erfindung gehören insbesondere Glykoproteine der Hülle von Viren, die einen Tropismus für Endothelzellen haben. Zu diesen Viren gehören beispielsweise:

25

30

- Filoviren, beispielsweise
 - das Marburg-Virus
 mit seinem Hüllprotein GP (glycoprotein) und sGP (second glycoprotein)
 - oder das Ebola-Virus jeweils mit seinem Hüllprotein GP und sG
- das Cytomegalovirus
 besonders mit seinem gB-Protein
- das Herpes Simplex-Virus Type I

WO 00/53790

PCT/EP00/01612

38

- das HIV-1 Virus
- das Masern-Virus
- das Hantaan-Virus
- Alphaviren, wie Semliki Forest-Virus
- 5 das Virus des epidemischen, haemorrhagischen Fiebers
 - das Poliovirus

15

20

25

30

- Enteroviren (wie z.B. Echo 9, Echo 12, Coxsackie B3)
- Bindestrukturen für aktivierte Makrophagen und/oder aktivierte Lymphozyten
- Zu den Bindestrukturen im Sinne der Erfindung gehören des weiteren Substanzen, welche an die Oberfläche von Immunzellen spezifisch binden. Hierzu gehören Antikörper oder Antikörperfragmente gerichtet gegen Membranstrukturen von Immunzellen, wie sie beispielsweise von Powelson et al., Biotech. Adv. 11, 725 (1993) beschrieben wurden.
- Des weiteren gehören zu den Bindestrukturen auch monoklonale oder polyklonale Antikörper oder Antikörperfragmente, die mit ihrem antigenbindenden variablen Teil an Fc-γ oder Fc-ε oder Fc-μ Rezeptoren von Immunzellen binden (Rojanasakul et al., Pharm. Res. 11, 1731 (1994)).
 - Des weiteren gehört hierzu das Fc-Fragment von humanem monoklonalem oder polyklonalem Immunglobulin. Derartige Fc-Fragmente werden beispielsweise gentechnisch mit Hilfe rekombinierter DNA oder entsprechend der Methoden von Haupt et al., Klin. Wschr. <u>47</u>, 270 (1969), Kranz et al., Dev. Biol. Standard <u>44</u>, 19 (1979); Fehr et al., Adv. Clin. Pharmac. <u>6</u>, 64 (1974), Menninger et al., Immunochem. <u>13</u>, 633 (1976) hergestellt.
 - Zu den Bindestrukturen gehören des weiteren alle Substanzen, welche an Membranrezeptoren auf der Oberfläche von Immunzellen binden. Hierzu gehören Zytokine wie beispielsweise IL-1, IL-2, IL-3, IL-4, IL-6, IL-10, TNFα, GM-CSF, M-CSF des weiteren Wachstumsfaktoren wie beispielsweise EGF,

TGF, FGF, IGF oder PDGF oder deren Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch Immunzellen binden.

Hierzu gehören des weiteren Adhäsionsmoleküle und andere Liganden, welche an Zellmembranstrukturen, wie beispielsweise an den Mannose 6-Phosphat-Rezeptor auf Makrophagen in Milz, Leber, Lunge und andere Gewebe binden.

Eine Auswahl dieser Liganden und Membranstrukturen ist übersichtlich bei Perales et al., Eur. J. Biochem. 226, 255 (1994) beschrieben.

10

5

Zu den Bindestrukturen im Sinne dieser Erfindung gehören jedoch auch Glykoproteine der Hülle von solchen Viren, die einen Tropismus für Lymphozyten und/oder Makrophagen haben.

- 15 Zu diesen Makrophagen infizierenden Viren gehören beispielsweise:
 - HIV-1
 besonders solche Stämme mit Mutationen in der V3-Region von gp120, die zu einer erhöhten Bindung an Makrophagen führen
- 20 HIV-2
 - Hantaviren, beispielsweise des Punmalavirus
 - Cytomegalovirus
 - Respiratory Syncytial Virus
 - Herpes simplex-Virus
- 25 Filoviren.

30

Zu den Lymphozyten infizierenden Viren gehören beispielsweise:

- Varizella-Zoster-Virus (VZV);
 VZV infiziert besonders T-Zellen
- Herpes Virus 6 (HHV-6);
 HHV-6 infiziert besonders T-Zellen

- Rabies-Virus;
 das Rabies-Virus Hüllprotein bindet besonders an TH2-Zellen
- HIV-1;
 das Glykoprotein gp120 bindet bevorzugt an das CD4 Molekül von T-Zellen
- 5 HTLV-II;
 HTLV-II infiziert besonders B-Zellen
 - HTLV-I;
 HTLV-I infiziert besonders T-Zellen
 - Influenza C-Viren;
- Influenza-C-Viren binden über das Haemagglutinin-Esterase-Fusions-(HEF)Protein an N-acetyl-9-O-acetylneuraminsäure (Neu 5,9 Ac2), welche
 bevorzugt auf B-Lymphozyten, weniger oder nicht auf T-Lymphozyten
 vorkommt
- Influenza C-Viren mit Mutation in der Nukleotidposition 872 (die die Position
 284 des HEF der Aminosäuresequenz kodiert), beispielsweise ein
 Austausch des Threonins durch Isoleucin. Das Oberflächenprotein HEF mit dieser Mutation hat eine deutlich stärkere Affinität zum N-acetyl-9-O-acetylneuraminsäure-Rezeptor als das Wildvirus
- HEF Spaltprodukte des Influenza C-Virus, welche die Bindestruktur für Nacetyl-9-O-acetylneuraminsäure enthalten. Diese Bindestruktur ist definiert
 durch die katalytische Triade Serin-71, Histidin 368 oder 369 und
 Asparaginsäure 261
 - epstein-barr Virus;EBV infiziert besonders B-Zellen
- 25 Herpes simplex-Virus-2;HSV-2 infiziert besonders T-Zellen
 - Masernvirus
 - Bindestrukturen für Muskelzellen
- 30 Hierzu gehören beispielsweise Antikörper oder Antikörperfragmente, gerichtet gegen Membranstrukturen von Muskelzellen, insbesondere von glatten Muskelzellen. Derartige Antikörper sind beispielsweise

- der Antikörper 10F3
- Antikörper gegen Actin
- Antikörper gegen Angiotensin II-Rezeptoren
- 5 Antikörper gegen Rezeptoren für Wachstumsfaktoren

oder Antikörper gerichtet beispielsweise gegen

- EGF-Rezeptoren
- 10 oder gegen PDGF-Rezeptoren
 - oder gegen FGF-Rezeptoren
 - oder Antikörper gegen Endothelin A-Rezeptoren.

Zu den Bindestrukturen gehören des weiteren alle Wirksubstanzen, welche an
Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf Muskelzellen binden (Übersicht
bei Pusztai et al., J. Pathol. <u>169</u>, 191 (1993), Harris, Curr. Opin. Biotechnol. <u>2</u>, 260
(1991)). Beispielsweise gehören hierzu Wachstumsfaktoren oder deren
Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch
glatte Muskelzellen binden wie beispielsweise

20

- PDGF
- EGF
- TGFB
- TGFα
- 25 FGF
 - Endothelin A

Zu den Bindestrukturen im Sinne dieser Erfindung gehören jedoch auch Glykoproteine der Hülle von solchen Viren, die einen Tropismus für Muskelzellen haben. Zu diesen Viren gehört beispielsweise das Cytomegalovirus.

5 - Bindestrukturen für blutbildende Zellen

Zu den Bindestrukturen gehören Antikörper oder Antikörperfragmente, gerichtet gegen Rezeptoren exprimiert auf gering differenzierten Blutzellen.

- Derartige Antikörper sind beispielsweise für folgende Rezeptoren beschrieben worden:
 - Stem Cell Factor Receptor
 - IL-1-Rezeptor (Type I)
- 15 IL-1-Rezeptor (Type II)
 - IL-3-Rezeptor α
 - IL-3-Rezeptor β
 - IL-6-Rezeptor
 - GM-CSF-Rezeptor.

20

Des weiteren gehören zu den Bindestrukturen auch monoklonale oder polyklonale Antikörper oder Antikörperfragmente, die mit ihren konstanten Domänen an Fc-γ Rezeptoren von Immunzellen binden.

- Zu den Bindestrukturen gehören des weiteren alle Substanzen, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf der Oberfläche von gering differenzierten Blutzellen binden. Beispielsweise gehören hierzu Wachstumsfaktoren, wie SCF, IL-1, IL-3, IL-6, GM-CSF oder deren Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch Blutzellen binden.
 - Bindestrukturen für Synovialzellen und Entzündungszellen

Hierzu gehören monoklonale oder polyklonale Antikörper oder Antikörperfragmente, die mit ihren variablen Domänen an Membranstrukturen von Synovialzellen oder Entzündungszellen binden. Solche Membranstrukturen sind beispielsweise

- Vimentin
- Fibronectin oder
- Fc-Rezeptoren.

10

5

Hierzu gehören auch monoklonale oder polyklonale Antikörper oder Antikörperfragmente, die mit ihren konstanten Domänen an Fc-Rezeptor binden.

- Hierzu gehören des weiteren alle Wirkstoffe, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf Synovialzellen binden. Beispielsweise gehören hier Cytokine oder Wachstumsfaktoren oder deren Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch Synovialzellen binden wie beispielsweise IL-1-RA, TNFα, IL-4, IL-6, IL-10, IGF, TGFβ.
- Des weiteren gehören hierzu Bindestrukturen, deren wesentlicher Bestandteil endständige Mannose ist, welche an Mannose-6-Phosphatrezeptoren auf Makrophagen bindet.

- Bindestrukturen für mit Viren infizierte Zellen

25

Zu den Bindestrukturen gehören Antikörper oder Antikörperfragmente, gerichtet gegen die Virusantigene exprimiert auf der Zellmembran von virusinfizierten Zellen.

- Derartige Antikörper sind beispielsweise für mit folgenden Viren infizierten Zellen beschrieben worden:
 - HBV

WO 00/53790 PCT/EP00/01612

- HCV
- HSV
- HPV
- HIV
- 5 EBV

15

- HTLV.

- Bindestrukturen für Leberzellen und weitere Gewebezellen

Zu den Bindestrukturen gehören alle Substanzen, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf der Oberfläche von Leberzellen binden.

Beispielsweise gehören hierzu Wachstumsfaktoren, wie Zytokine, EGF, TGF, FGF oder PDGF, oder deren Fragmente bzw. Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch derartige Zellen binden.

Hierzu gehören des weiteren Bindestrukturen, welche an Zellmembranstrukturen binden, welche selektiv sind für bestimmte Gewebe. Hierzu zählen beispielsweise:

Membranstruktur	Bindestruktur	Gewebezellen
Asialoglycoprotein- Rezeptor	Asialoorosomucoid Neoglycoprotein Galactose	Leberzellen
Transferrin-Rezeptor	Transferrin	Leber, andere Gewebe- zellen
Insulin-Rezeptor	Insulin	Leber, andere Gewebe- zellen
Mannose-6-Phosphat- Rezeptor	Mannose	Makrophagen in Milz, Leber, Lunge, andere Gewebe
Fc-γ-Rezeptoren	Immunglobulin G	retikuloendotheliales System, andere Gewebe

Diese Binde- und Membranstrukturen sind übersichtlich bei Perales et al., Eur. J. Biochem. <u>226</u>, 255 (1994) beschrieben.

5

Zu den Bindestrukturen im Sinne der Erfindung gehören jedoch besonders Glykoproteine der Hülle von Viren, die einen Tropismus für ausgewählte Zellen haben, wie beispielsweise für

- 10 Bronchialepithelzellen
 - * Respiratory syncytial virus
 - Leberzellen
 - * Hepatitis C-Virus, Hepatitis B-Virus, Hepatitis A-Virus
 - * Filoviren
- 15 Leberzellen binden z.B. das Marburg-Virus über den Asialoglykoprotein-Rezeptor
 - Hepatitis B-Virus
 Leberzellen binden bevorzugt über den Asialoglykoprotein-Rezeptor an der preS2 und preS1 Domäne von HBV
- 20 * Hepatitis D-Virus
 - lebersinusoidale Zellen

Hepatitis V-Virus
 HBV wird gebunden über Fibronectin.

- Bindestrukturen für Gliazellen

5

10

15

Hierzu gehören Antikörper oder Antikörperfragmente gerichtet gegen Membranstrukturen von Gliazellen, wie sie beispielsweise von Mirsky et al. (Cell and Tissue Res. <u>240</u>, 723 (1985)), Coakham et al. (Prog. Exp. Tumor Res. <u>29</u>, 57 (1985)) und McKeever et al. (Neurobiol. <u>6</u>, 119 (1991)) berichtet wurden. Zu diesen Membranstrukturen gehören des weiteren Neuraladhäsionsmoleküle wie N-CAM, insbesondere dessen Polypeptidkette C.

Hierzu gehören des weiteren alle Wirkstoffe, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren auf Gliazellen binden. Beispielsweise gehören hierzu Substanzen, die endständig Mannose tragen und an den Mannose-6-Phosphatrezeptor binden, Insulin und Insulin-like growth factor, PDGF und diejenigen Fragmente dieser Wachstumsfaktoren, welche an die zugehörigen Membranrezeptoren binden.

Zu den Bindestrukturen im Sinne der Erfindung gehören insbesondere Glykoproteine der Hülle von solchen Viren, die einen Tropismus für Gliazellen haben.

Zu diesen Viren gehören beispielsweise:

25

- HIV-1 Subtyp JRF1
- Herpes simplex-Virus I

- Bindestrukturen für Leukämiezellen

30

Hierzu gehören Antikörper oder Antikörperfragmente, gerichtet gegen Membranstrukturen von Leukämiezellen. Eine große Anzahl derartiger monoklonaler Antikörper sind bereits für diagnostische und therapeutische

Verfahren beschrieben worden (Übersichten bei Kristensen, Danish Medical Bulletin 41, 52 (1994); Schranz, Therapia Hungarica 38, 3 (1990); Drexler et al., Leuk. Res. 10, 279 (1986); Naeim, Dis. Markers 7, 1 (1989); Stickney et al., Curr.. Opin. Oncol. 4, 847 (1992); Drexler et al., Blut 57, 327 (1988); Freedman et al., Cancer Invest. 9, 69 (1991)). Je nach Typ der Leukämie sind als Liganden beispielsweise monoklonalen Antikörper oder deren antigenbindende Antikörperfragmente mit Spezifität für folgende Antigene geeignet:

Zellen	Membranantigen
AML	CD13 CD14 CD15 CD33 CAMAL sialosyl-le
B-CLL	CD5 CD1c CD23 Idiotypen und Isotypen der Membranimmun- globuline
T-CLL	CD33 M38 IL-2-Rezeptoren T-Zell-Rezeptoren
ALL	CALLA CD19 non-hodgkin lymphoma

Zu den Bindestrukturen gehören des weiteren alle Wirkstoffe, welche an Membranstrukturen oder Membranrezeptoren von Leukämiezellen binden.
Beispielsweise gehören hierzu Wachstumsfaktoren oder deren Fragmente bzw.
Teilsequenzen von ihnen, die an Rezeptoren exprimiert durch Leukämiezellen binden.

15

Derartige Wachstumsfaktoren wurden bereits beschrieben (Übersichten bei Cross et al., Cell <u>64</u>, 271 (1991); Aulitzky et al., Drugs <u>48</u>, 667 (1994); Moore, Clin. Cancer

Res. <u>1</u>, 3 (1995); Van Kooten et al., Leuk. Lymph. <u>12</u>, 27 (1993)). Beispielsweise gehören zu ihnen:

- IFNα bei non-hodgkin Lymphomen
- 5 IL-2, besonders bei T-Zell-Leukämien
 - FGF bei T-Zell-, monozytären, myeloiden, erythroiden und megakaryoblastischen Leukämien
 - TGFβ bei Leukämien
 - Retinoide, z.B. "Retinoid acid" bei akuter promyelozytärer Leukämie.

10

15

- Bindestrukturen für Tumorzellen

Hierzu gehören Antikörper und Fragmente dieser Antikörper, gerichtet gegen Membranstrukturen auf Tumorzellen. Derartige Antikörper wurden zum Beispiel von Sedlacek et al., Contrib. to Oncol. <u>32</u>, Karger Verlag, München (1988) und Contrib. to Oncol. <u>43</u>, Karger Verlag, München (1992) übersichtlich dargestellt.

Weitere Beispiele stellen dar Antikörper gegen:

- 20 Sialyl Lewis
 - Peptide auf Tumoren, welche von T-Zellen erkannt werden
 - von Onkogenen exprimierte Proteine
 - Ganglioside wie GD3, GD2, GM2, 9-0-acetyl GD3, Fucosyl GM1
 - Blutgruppenantigene und deren Vorläufer .
- 25 Antigene auf dem polymorphen epithelialen Mucin
 - Antigene auf Heat Shock Proteinen

4a) Beschreibung des Linkers [Komponente b)_m]

Die Wahl des Linkers richtet sich nach der chemischen Natur der Komponenten a)_n und c)_O und nach der Methode, mit welcher diese Komponenten über den Linker miteinander verbunden werden.

- Sind die Bindestrukturen Peptide oder Proteine, so wird vorzugsweise ein Peptid
 oder Protein als Linker verwendet und die Verbindung des Linkers mit den
 Komponenten a)_n und c)_o erfolgt vorzugsweise über eine Peptidbindung.
 Derartige Moleküle werden vorzugsweise als Fusionsproteine mit Hilfe der
 rekombinierten DNA-Technologie hergestellt.
- Ist die Komponente c)_O kein Peptid oder Protein, so stellt der Linker in seiner einfachsten Form eine Struktur dar, welche die Komponente a)n mit der Komponente c)_O verbindet. Derartige Strukturen resultieren aus den verschiedenen chemischen Konjugationsmethoden, mit Hilfe derer Moleküle an Aminogruppen, Hydroxygruppen, SH-Gruppen, Carboxylgruppen oder an Aldehydgruppen in Proteinen gebunden werden (Übersicht der Methoden siehe Sedlacek et al., Contrib. to Oncol. 32, 42-49 und 81-85, Karger Verlag, München (1988)).

10

5

Der Linker [die Komponente a)_n und die Komponente b)_m] können jedoch auch selbst jeweils ein Peptid oder Protein sein. In diese Falle erfolgt die Verbindung zwischen beiden vorzugsweise über eine Peptidbindung und zur Komponente c)o über eine der chemischen Konjugationsmethoden.

20

- Ob der Linker ein fusogenes Peptid oder ein Translokalisationspeptid enthält, richtet sich nach der Verwendung des erfindungsgemäßen Moleküls. Soll das erfindungsgemäße Molekül extravaskulär im Bindegewebe oder in der Zelle seine Wirkung entfalten, ist der Linker vorzugsweise ein Molekül mit fusogener
- 25 Eigenschaft. Diese fusogene Eigenschaft erleichtert die Passage des erfindungsgemäßen Moleküls durch die Zellmembran.
 Im Sinne dieser Erfindung werden als Linker mit fusogener Eigenschaft virale oder bakterielle Peptide oder Proteine wie auch synthetische Peptide verwendet.
- 30 Moleküle mit fusogener Eigenschaft sind beispielsweise (Details siehe Patentanmeldung EP-A 0 846 772):

WO 00/53790 PCT/EP00/01612 50

 Peptide enthaltend die Translokationsdomäne (Domäne II) des Exotoxins A von Pseudomonas

* Peptide enthaltend das Peptid

GLFEALLELLESLWELLLEA

(SEQ ID NO.: 1)

5 * Peptide enthaltend das Peptid

AALAEA[LAEA]4LAAAAGC

(SEQ ID NO.: 2)

* Peptide enthaltend das Peptid

FAGV-VLAGAALGVAAAAQI

(SEQ ID NO.: 3)

des Fusionsproteins des Masern-Virus

10 * Peptide enthaltend das Peptid

GLFGAIAGFIEGGWWGMIDG

(SEQ ID NO.: 4)

des HA2 Proteins von Influenza A

Peptide enthaltend das Peptid

GLFGAIAGFIENGWEGMIDGGLFGAIAGFIENGWEGMIDG (SEQ ID NO.: 5)

15 oder das Peptid

GLFGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 6)

ALFGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 7)

LFLGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 8)

LLLGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 9)

LILGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 10)

GIFGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 11)

GLLGAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 12)

GLFAAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 13)

GLFEAIAGFIE;

(SEQ ID NO.: 14)

GLFGAMAGFIE;

(SEQ ID NO.: 15)

GLFGAIAGLIE;

(SEQ ID NO.: 16)

GLFGAIAGFIV;

(SEQ ID NO.: 17)

GLFEAIAEFIEGGWEGLIEG

•

OLI ENINEI ILOOVILOLILO

(SEQ ID NO.: 18) oder

GLLEALAELLEGGWEGLLEG

(SEQ ID NO.: 19)

30

20

25

Im Rahmen der vorliegenden Erfindung werden desweiteren Proteine von Viren verwendet, welche fusogene Eigenschaften haben. Eine Reihe von Viren besitzt fusogene und/oder translozierende Hüllproteine, so beispielsweise Paramyxoviren,

Retroviren und Herpesviren. Hierzu gehören beispielsweise das TAT-Protein von HIV oder dessen translokalisierende Aminosäuresequenz oder das VP22-Protein von HSV.

- 5 Eine Reihe von Viren besitzen des weiteren Glykoproteine, die verantwortlich sind sowohl für die Virusanheftung als auch nachfolgend für die Zellmembranfusion (Gaudin et al., J. Gen. Viro. <u>76</u>, 1541 (1995)).
- Derartige Proteine werden beispielsweise von Alpha-, Rhabdo- und Orthomyxoviren gebildet.

Virale fusogene Proteine im Sinne der Erfindung wurden übersichtlich beschrieben von Hughson, Curr. Biol. <u>5</u>, 265 (1995); Hoekstra, J. Bioenergetics Biomembranes <u>22</u>, 121 (1990); White, Ann. Rev. Physiol. <u>52</u>, 675 (1990).

15

Fusogene Proteine im Sinne dieser Erfindung sind beispielsweise:

- das Haemagglutinin von Influenza A- oder B-Viren, insbesondere die HA2-Komponente
- das M2-Protein von Influenza A-Viren
 alleine oder in Kombination mit dem Haemagglutinin von Influenza eingesetzt
 oder mit Mutanten von Neuraminidase von Influenza A, denen die Enzymaktivität
 fehlt, die jedoch Haemagglutination bewirken.
 - Peptidanaloga des Influenza-Virus Haemagglutinins
- das HEF-Protein des Influenza C-Virus
 Die Fusionsaktivität des HEF-Proteins wird aktiviert durch Spaltung des HEFo in die Untereinheiten HEF1 und HEF2.
 - das Transmembranglykoprotein von Filoviren, wie beispielsweise
 - * des Marburg-Virus
- 30 * des Ebola-Virus
 - das Transmembranglykoprotein des Tollwutvirus
 - das Transmembranglykoprotein (G) des Vesicular Stomatitis-Virus

WO 00/53790 PCT/EP00/01612 52

- das Fusionsprotein des HIV-Virus, insbesondere die gp41-Komponente und fusogene Komponenten hiervon
- das Fusionsprotein des Sendai-Virus, insbesondere die aminoterminalen 33 Aminosäuren der F1-Komponente
- das Transmembranglykoprotein des semliki Forest-Virus, insbesondere die E1-Komponente
 - das Transmembranglykoprotein des Tick-borne Enzephalitis-Virus
 - das Fusionsprotein des menschlichen respiratorischen syncytialen Virus (RSV)
 (im besonderen die gp37-Komponente)
- 10 das Fusionsprotein (S-Protein) des Hepatitis B-Virus
 - das Fusionsprotein des Masern-Virus
 - das Fusionsprotein des newcastle Disease Virus

bekannten molekularbiologischen Methoden.

das Fusionsprotein des Visna-Virus

20

30

- das Fusionsprotein vom murinen Leukämie-Virus (im besonderen p15E)
- 15 das Fusionsprotein vom HTL-Virus (im besonderen das gp21)
 - das Fusionsprotein des Simian Immunodeficiency Virus (SIV)
 Virale fusogene Proteine werden entweder durch Lösung der Hüllproteine aus einer
 Virusanreicherung mit Hilfe von Detergentien (wie beispielsweise β-D-octylglucopyranosid) und Abtrennung durch Zentrifugation (Übersicht bei Mannio et al., BioTechniques 6, 682 (1988)) gewonnen oder aber mit Hilfe von dem Fachmann
- 5) Die Verknüpfung der Komponenten zu einem MVP
 Die Verknüpfung der Komponenten a)_n, b)_m und c)_o zu einem MVP erfolgt
 vorzugsweise über Peptidbindungen. Um die Wirksamkeit bzw. die
 Funktionsfähigkeit der einzelnen Komponenten a)_n, b)_m oder c)_o nicht zu
 beeinträchtigen, wird zwischen diesen Komponenten eine beliebig lange
 Peptidsequenz eingefügt, vorzugsweise eine Peptidsequenz von 0-30
 Aminosäuren.

6) Herstellung eines Moleküls aus mindestens zwei zielzellspezifischen, multivalenten Proteinen (MVP)

Ein derartiges Molekül wird hergestellt aus der Verbindung mindestens zweier MVPs durch Verbindung der jeweiligen Komponenten a)_n, b)_m und/oder c)_o.

Derartige Verbindungen werden hergestellt in der Form, daß die natürlicherweise vorkommende Dimerisierung (oder Multimerisierung) von Proteinen ausgenutzt wird oder daß Verbindungsteile in die Komponenten a, b und/oder c eingefügt werden und diese Verbindungsteile die Verknüpfungen ermöglichen. Derartige Verbindungsteile können entsprechend der Erfindung beispielsweise sein:

10 - mehr als 3 Cysteine

5

- die Hinge Region der schweren Kette eines Antikörpers
- der zellinterne Teil von CD4 einerseits und die CD4 Bindedomäne von p56 LcK andererseits
- das Gal80 Protein einerseits und die Gal80 Bindedomäne von Gal4 andererseits.
- Hierdurch resultieren zielzellspezifische, multivalente Proteine (MVP), deren Di- oder Multimerisierung erfolgt ist durch eine nicht kovalente oder kovalente Verbindung (z.B. durch S-S-Brücken, Peptidverbindungen)
 - der Komponente a)_n
 - der Linker [Komponente b)_m] oder
- 20 der Komponente c)_o.

Das zielzellspezifische, multivalente Protein (MVP) wird anhand folgender Beispiele näher verdeutlicht:

25 Beispiele zur Verdeutlichung des Erfindungsgedankens

Beispiel 1

Vorarbeiten: Herstellung eines homodimeren s.c. Fv anti AV-VEGF2 Moleküls

entsprechend dem Stand der Technik zur zielgesteuerten Transduktion

von Adenoviren

Die Expression einer scFv-VEGF-Polypeptidkette führt zur Ausbildung eines Homodimers, das zwei Bindungsstellen für Adenoviren und zwei Bindungsstellen für VEGF-Rezeptoren besitzt. Die Verbindung zum Dimer erfolgt hierbei über VEGF (= Zellbindestruktur) unter Ausbildung von Disulfidbrücken. Zur Herstellung dieses Konstruktes wurde zunächst die Rezeptor-bindende Domäne des VEGF (Aminosäuren 1-114) in einen eukaryotischen Expressionsvektor kloniert und in Säugerzellen exprimiert. Für eine Bindung an Flk-1 ist ein VEGF-Fragment von Aminosäure 11 bis 109 ausreichend (Siemeister et al., J. Biol. Chem. 273,11115 (1998)). Dieses VEGF-Fragment wurde N-terminal durch einen kurzen Linker mit dem einzelkettigen Fv-Fragment (scFv) anti AV (S11) fusioniert. S11 bindet an die "knob"-Domäne des adenoviralen "fiber"-Proteins und neutralisiert die Bindung an den zellulären Adenovirus-Rezeptor. Die Expression erfolgte ebenfalls in Säugerzellen. Die Funktionalität der Bindungsstellen wird immunologisch (ELISA. Immunzytologie, Durchflußzytometrie) bzw. in Proliferationsassays mit primären humanen Endothelzellen verifiziert. Die zielgesteuerte Transduktion wird mit Hilfe von Adenoviren, die das lacZ-Gen unter der Kontrolle des CMV-Promotors exprimieren, durchgeführt.

Klonierung des Expressionsplasmids pSecTag-VEGF

1

20

25.

5

10

15

Für die Klonierung sämtlicher Expressionskonstrukte wurde pSecTagA (Invitrogen, Expressionsvektor mit Igk-leader-Sequenz) als Vektor verwendet. Die in diesen Vektor klonierte VEGF-cDNA wurde mittels PCR aus genomischer DNA der humanen Tumorzellinie LNCaP mit Taq-Polymerase (Pharmacia) amplifiziert (30 Zyklen, Annealingtemperatur: 58°C). Dazu wurden folgende Oligonukleotide verwendet (Restriktionsstellen unterstrichen, Nummern = Aminosäureposition VEGF-cDNA nach Leader s. Leung et al., Science 246, 1306 (1989)):

VEGF back1

30

D P A A A P M A E G G Q N
5' GC TG<u>G GAT CC</u>G <u>GCG GCC GC</u>A CCC ATG GCA GAA GGA GGA GGG CAG AAT

BamHI Not!

VEGF for1 (bottom strand)

114

5 E C R P K K D R A R Q E H H H H H 5' GAA TGC AGA CCA AAG AAA GAT AGA GCA AGA CAA GAA CAT CAT CAC CAT CTT ACG TCT GGT TTC TTT CTA TCT CGT TCT GTT CTT GTA GTA GTG GTA

H H * (SEQ ID NO.: 20)

10

CAC CAT TGA GAA TTC GTC ACG (SEQ ID NO.: 21)

GTG GTA ACT CTT AAG CAG TGC 5' (SEQ ID NO.: 22)

15 EcoRI

Die PCR-Produkte wurden mit QIAquickTM Spin-Säulen (Qiagen) nach Anleitung des Herstellers aufgereinigt, mit den Restriktionsenzymen BamHI und EcoRI verdaut und nach Auftrennung durch Agarosegelelektrophorese erneut mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die verdauten PCR-Produkte wurden anschließend in den entsprechend geschnittenen und aufgereinigten Vektor pSeqTagA ligiert (T4-Ligase, promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt.

25

20

Die Klonierung des s.c. Fv (anti AV)-VEGF-Konstruktes erfolgte durch 2-Fragment-Ligation. Das s.c. Fv (anti AV)-Fragment wurde mittels PCR (s.o) unter Verwendung folgender Oligonukleotide hergestellt: PelB Metminus

A A Q P A T A Q V (SEQ ID NO.: 23)
5' TAA CTC GC<u>G GCC CAG CCG GCC</u> ACG GCC CAG GT 3' (SEQ ID NO.: 24)
Sfil

LMB2

5' GTA AAA CGA CGG CCA GT 3' (SEQ ID NO.: 25)

10

5

Dabei diente das Plasmid anti AV-pUC119mycHis (R. Hawkins in: Watkins et al., Gene Therapy 4, 1104 (1997)) als Template. Das PCR-Produkt wurde mit QIAquickTM Spin-Säulen (Qiagen) nach Anleitung des Herstellers aufgereinigt und mit den Restriktionsenzymen Sfil und Notl verdaut.

15

20

Das 2. Fragment, VEGF, wurde durch Restriktionsverdau des VEGF-Plasmids mit den Restriktionsenzymen Notl und EcoRl erhalten. Der Vektor, pSecTagA, wurde mit Sfil und EcoRl verdaut. Nach Auftrennung der Restriktionsverdau-Produkte durch Agarosegelelektrophorese wurde erneut mit QlAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die Fragmente 1 und 2 wurden anschließend in den geschnittenen und aufgereinigten Vektor ligiert (T4-Ligase, promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt. Die Nukleotid- und Proteinsequenz des Konstrukts s.c. Fv anti AV-VEGF ist in Figur 3 dargestellt.

25

30

Expression von VEGF

Eine in vitro-Transkription und -Translation (promega, nach Angaben des Herstellers) des VEGF-Konstruktes ergab ein Protein, das im SDS-Polyacrylamidgel mit der erwarteten Größe von etwa 20 kd lief. Die Transfektion des Plasmids in HEK293-Zellen wurde mit lipofektamin (gibco) nach Angaben des Herstellers unter Verwendung von 5 µg Plasmid und 30 µl lipofectamin pro 6 cm Schale durchgeführt. Transient transfizierte Zellen zeigten in der Immunfluoreszenz (1. Antikörper:

monoklonaler anti-His-Tag, dianova; 2. Antikörper: Ziege-anti-Maus-Cy3, dianova) ein deutliches Signal. Hier waren v.a. die Kompartimente des zellulären Sekretionsweges dargestellt. Stabile Klone wurden durch Selektion in 200 µg/µl Zeocin erhalten. Die Aufreinigung erfolgte aus dem Zellkulturüberstand durch immobilisierte Metallaffinitätschromatographie (IMAC) mittels sechs C-terminaler Histidinreste.

Expression von s.c. anti AV (S11)-VEGF

5

20

25

Die Expression von s.c. anti AV-VEGF erfolgt ebenfalls durch stabil transfizierte HEK293-Zellen. Wie VEGF kann auch dieses Fragment mittels IMAC aufgereinigt werden.

Herstellung des erfindungsgemäßen monomeren scFv-anti AV-scVEGF2-Moleküls

zur zielzellspezifischen Transduktion von Adenoviren

In einem scFv-scVEGF2-Molekül (sc für "single chain" = einzelkettig) wird ein scFv-Fragment mit zwei VEGF-Einheiten, die über einen zusätzlichen Peptid-Linker verbunden sind, fusioniert. Dieses Molekül liegt somit als Monomer vor und besitzt eine Bindungsstelle für das adenovirale "fiber"-Protein und zwei Bindungsstellen für die VEGF-Rezeptoren. Die Funktionalität dieser Bindungsstellen wird immunologisch (ELISA, Immunzytologie, Durchflußzytometrie) bzw. in Proliferationsassays mit primären humanen Endothelzellen verifiziert. Die zielgesteuerte Transduktion wird mit Hilfe von Adenoviren, die das lacZ-Gen unter der Kontrolle des CMV-Promotors exprimieren, durchgeführt.

Klonierung der Expressionsplasmide

Zunächst wurde ein scVEGF2-Konstrukt (Aminosäuren 1 - 109, GGGSGGGRASG30 GGS-Linker (SEQ ID NO.: 26) und Aminosäuren 6 - 114) kloniert und exprimiert. Zur
Klonierung dieses Konstruktes wurden 2 PCR-Reaktionen (siehe unter 1) mit
folgenden Oligonukleotiden durchgeführt:

- mit VEGF back 1 (s. unter 1) und VEGF for 2 (s.u.)
- mit VEGF back 2 (s.u.) und VEGF for 1 (s. unter 1)

15

20

VEGF back2

G R A S G G G G G Q N H

10 5' GAC TCG GGG CGC GCC TCG GGA GGC GGT AGT GGA GGA GGG CAG AAT CAT

Ascl

H E V V K (SEQ ID NO.: 27) CAC GAA GTG GTG AAG (SEQ ID NO.: 28)

VEGF for2 (bottom strand)

109 (SEQ ID NO.: 29)
Q H N K C E C R P K K D <u>G G G S</u>
5' CAG CAC AAC AAA TGT GAA TGC AGA CCA AAG AAA GAT GGT GGA GGC AGC
GTC GTG TTG TTT ACA CTT ACG TCT GGT TTC TTT CTA CCA CCT CCG TCG

GGGRA

GGA GGC GGC GCC ACT GTG (SEQ ID NO.: 30)

CCT CCG CCC GCG CGG TGA CAC 5' (SEQ ID NO.: 31)

25 Ascl

(Restriktionsstellen und Linker unterstrichen, Nummern = Aminosäureposition VEGF cDNA nach Leader s. Leung et al., Science 246, 1306 (1989)).

Die PCR-Produkte wurden mit QIAquickTM Spin-Säulen (Qiagen) nach Anleitung des
Herstellers aufgereinigt, mit den Restriktionsenzymen BamHl und Ascl (1) bzw. Ascl
und EcoRI (2) verdaut und nach Auftrennung durch Agarosegelelektrophorese
erneut mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die verdauten PCR-Produkte (1)
und (2) wurden anschließend in den entsprechend geschnittenen und aufgereinigten
Vektor pSeqTagA ligiert (T4-Ligase, Promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte

mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt.

Zur Klonierung von S11-scVEGF2 wurde das scVEGF2-Plasmid mit dem
Restriktionsenzym EcoRI verdaut und unter Verwendung von klenow-Fragment (Boehringer Mannheim) wurde der einzelsträngige Überhang aufgefüllt.
Anschließend wurde mit Notl verdaut. Als Vektor wurde das S11-VEGF-Plasmid mit dem Restriktionsenzym Xhol verdaut, der einzelsträngige Überhang aufgefüllt und anschließend mit Notl verdaut. Die Produkte wurden mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt und ligiert. Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Nukleotid- und Proteinsequenz des Konstrukts S11-scVEGF2 ist in Figur 4 dargestellt.

Expression von scVEGF2

15

Eine in vitro-Transkription und -Translation (promega, nach Angaben des Herstellers) des scVEGF2-Konstruktes ergab ein Protein, das im SDS-Polyacrylamidgel mit der erwarteten Größe von etwa 34 kd lief. Die Transfektion des Plasmids in HEK293-Zellen erfolgte wie unter Beispiel 1 aufgeführt. Transient transfizierte Zellen zeigten in der Immunfluoreszenz (s. Beispiel 1) ein deutliches Signal. Hier waren v.a. die Kompartimente des zellulären Sekretionsweges dargestellt. Stabile Klone wurden durch Selektion in 200 µg/µl Zeocin erhalten. Die Aufreinigung erfolgte aus dem Zellkulturüberstand durch immobilisierte Metallaffinitätschromatographie (IMAC) mittels sechs C-terminalen Histidinresten.

25

30

20

Expression von s.c. Fv-anti AV (S11)-scVEGF2

Die Expression von s.c. Fv anti AV (S11)- scVEGF2 erfolgt ebenfalls durch stabil transfizierte HEK293-Zellen. Wie scVEGF2 wird auch dieses Fragment mittels IMAC aufgereinigt.

Beispiel 2

Vorarbeiten: Herstellung eines homodimeren s.c. Fv anti CD3-VEGF2 Moleküls entsprechend dem Stand der Technik

5

10

15

20

25

In den hier beschriebenen Beispielen wurden zielzellspezifische multivalente Proteine für eine systemische Therapie von Krebs entwickelt. Ziel ist eine selektive Bindung des MVP an Tumor- oder Tumorendothelzellen. Dies ist eine Voraussetzung für die Verwendung toxischer Proteine oder Prodrug-aktivierender Systeme zur zielgesteuerten Zerstörung von Tumoren ohne toxische Effekte auf gesundes Gewebe.

Durch die Bindung des MVP an Tumorendothelzellen wirkt der im MVP enthaltene Wirkstoff auf die Tumorendothelzellen ein. Deren Zerstörung führt zu einer Behinderung der Blutzufuhr des Tumors und zu dessen Absterben.

Bei den hier dargestellten Beispielen wird als Ligand VEGF ("vascular endothelial growth factor") - in unterschiedlichen Konfigurationen - für eine zielgerichtete Bindung an Tumorendothelzellen eingesetzt. VEGF ist ein Wachstumsfaktor, der an die endothelspezifischen Rezeptoren KDR ("kinase insert domain-containing receptor") und flt-1 ("fms-like tyrosine kinase") bindet (Thomas, K.A., 1996, J. Biol. Chem. 271: 603). Diese sind in Tumorendothelzellen verstärkt exprimiert (Gerber, H.-P., 1997, J. Biol. Chem 272: 23659; Waltenberger J., 1996, Circulation 94: 1647; Takahashi, Y., 1995, Cancer Res. 55: 3964). VEGF bindet als disulfidverbundenes Dimer an seine Rezeptoren.

Als Wirkstoff wurde das rekombinante scFv-Fragment eines ausgewählten Antikörpers verwendet. Dieser Antikörper bindet an das CD3 Molekül des humanen T-Zell-Rezeptors.

30

Die Expression einer scFv-VEGF-Polypeptidkette führt zur Ausbildung eines Homodimers, das zwei Bindungsstellen für CD3 und zwei Bindungsstellen für VEGF-Rezeptoren besitzt. Die Verbindung zum Dimer erfolgt hierbei über VEGF

(= Zellbindestruktur) unter Ausbildung von Disulfidbrücken. Zur Herstellung dieses Konstruktes wurde zunächst die Rezeptor-bindende Domäne des VEGF (Aminosäuren 1-114) in einen eukaryotischen Expressionsvektor kloniert und in Säugerzellen exprimiert. Für eine Bindung an Flk-1 ist ein VEGF-Fragment von Aminosäure 11 bis 109 ausreichend (Siemeister et al., J. Biol. Chem. 273,11115 (1998)). Dieses VEGF-Fragment wurde N-terminal durch einen kurzen Linker mit dem einzelkettigen Fv-Fragment (scFv) anti CD3 fusioniert. Anti CD3 bindet an die CD3 Untereinheit des T-Zell-Rezeptors. Die Expression erfolgte ebenfalls in Säugerzellen. Die Funktionalität der Bindungsstellen wird immunologisch (ELISA, Immunzytologie, Durchflußzytometrie) bzw. in Proliferationsassays mit primären humanen Endothelzellen verifiziert. Des weiteren durch Bindung von T-Zellen an Endothelzellen über das erfindungsgemäße MVP.

Klonierung des Expressionsplasmids pSecTag-VEGF

5

10

15

20

25

30

Für die Klonierung sämtlicher Expressionskonstrukte wurde pSecTagA (Invitrogen, Expressionsvektor mit Igk-leader-Sequenz) als Vektor verwendet. Die in diesen Vektor klonierte VEGF-cDNA wurde mittels PCR aus genomischer DNA der humanen Tumorzellinie LNCaP mit Taq-Polymerase (Pharmacia) amplifiziert (30 Zyklen, Annealingtemperatur: 58°C). Dazu wurden Oligonukleotide publiziert von

Leung et al., Science 246, 1306 (1989) verwendet.

Die PCR-Produkte wurden mit QlAquickTM Spin-Säulen (Qiagen) nach Anleitung des

Herstellers aufgereinigt, mit den Restriktionsenzymen BamHI und EcoRI verdaut und nach Auftrennung durch Agarosegelelektrophorese erneut mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die verdauten PCR-Produkte wurden anschließend in den entsprechend geschnittenen und aufgereinigten Vektor pSeqTagA ligiert (T4-Ligase, Promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt.

Die Klonierung des s.c. Fv anti CD3-VEGF-Konstruktes erfolgte durch 2-Fragment-Ligation. Das 2. Fragment, VEGF, wurde durch Restriktionsverdau des VEGF-Plasmids mit den Restriktionsenzymen Notl und EcoRI erhalten. Der Vektor, pSecTagA, wurde mit Sfil und EcoRI verdaut. Nach Auftrennung der Restriktionsverdau-Produkte durch Agarosegelelektrophorese wurde erneut mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die Fragmente 1 und 2 wurden anschließend in den geschnittenen und aufgereinigten Vektor ligiert (T4-Ligase, Promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt.

10 Expression von VEGF

5

Eine in vitro-Transkription und -Translation (Promega, nach Angaben des Herstellers) des VEGF-Konstruktes ergab ein Protein, das im SDS-Polyacrylamidgel mit der erwarteten Größe von etwa 20 kd lief. Die Transfektion des Plasmids in HEK293-Zellen wurde mit Lipofektamin (Gibco) nach Angaben des Herstellers unter Verwendung von 5 µg Plasmid und 30 µl Lipofectamin pro 6 cm Schale durchgeführt.

Transient transfizierte Zellen zeigten in der Immunfluoreszenz (1. Antikörper: 20 monoklonaler anti-His-Tag, Dianova; 2. Antikörper: Ziege-anti-Maus-Cy3, Dianova) ein deutliches Signal. Hier waren v.a. die Kompartimente des zellulären Sekretionsweges dargestellt. Stabile Klone wurden durch Selektion in 200 µg/µl Zeozin erhalten. Die Aufreinigung erfolgte aus dem Zellkulturüberstand durch immobilisierte Metallaffinitätschromatographie (IMAC) mittels sechs C-terminaler Histidinreste.

Expression von s.c. Fv anti CD3-VEGF

Die Expression von s.c. Fv anti CD3-VEGF erfolgt ebenfalls durch stabil transfizierte

HEK293-Zellen. Wie VEGF kann auch dieses Fragment mittels IMAC aufgereinigt werden.

10

Herstellung eines erfindungsgemäßen monomeren scFv-scVEGF2-Moleküls

In einem scFv-scVEGF2-Molekül (sc für "single chain" = einzelkettig) wird ein scFv-Fragment mit zwei VEGF-Einheiten, die über einen zusätzlichen Peptid-Linker verbunden sind, fusioniert. Dieses Molekül liegt somit als Monomer vor und besitzt eine Bindungsstelle für das CD3 Molekül des T-Zell-Rezeptors und zwei Bindungsstellen für einen VEGF-Rezeptor. Die Funktionalität dieser Bindungsstellen wird immunologisch (ELISA, Immunzytologie, Durchflußzytometrie) bzw. in Proliferationsassays mit primären humanen Endothelzellen verifiziert. Die zielgesteuerte Bindung von T-Zellen wird an Hand deren Zytotoxizität für die Endothelzelle gemessen.

Klonierung der Expressionsplasmide

- Zunächst wurde ein scVEGF2-Konstrukt (Aminosäuren 1 109, GGGSGGGRASG-GGS-Linker und Aminosäuren 6 114) kloniert und exprimiert. Zur Klonierung dieses Konstruktes wurden 2 PCR-Reaktionen (siehe unter 1) mit folgenden Oligonukleotiden durchgeführt:
- 20 mit VEGF back 1 (s. unter 1) und VEGF for 2 (s.u.)
 - mit VEGF back 2 (s.u.) und VEGF for 1 (s. unter 1)

VEGF back2

25

G R A S G G S G G

GRASGGGSGGGGGGGGAGGGGGGGGGGAGAAT CAT

Ascl

30

H E V V K CAC GAA GTG GTG AAG

(SEQ ID NO.: 32) (SEQ ID NO.: 33)

35 VEGF for2 (bottom strand)

109 Q H N K C E C R P K K D <u>G G G</u> S 5' CAG CAC AAC AAA TGT GAA TGC AGA CCA AAG AAA GAT GGT GGA GGC AGC GTC GTG TTG TTT ACA CTT ACG TCT GGT TTC TTT CTA CCA CCT CCG TCG

5

G G R A (SEQ ID NO.: 34) GGA GGC GGG CGC GCC ACT GTG (SEQ ID NO.: 35)

CCT CCG CCC GCG CGG TGA CAC 5'

(SEQ ID NO.: 36)

10

(Restriktionsstellen und Linker unterstrichen, Nummern = Aminosäureposition VEGF cDNA nach Leader s. Leung et al., Science 246, 1306 (1989)).

Die PCR-Produkte wurden mit QlAquickTM Spin-Säulen (Qiagen) nach Anleitung des 15 Herstellers aufgereinigt, mit den Restriktionsenzymen BamHl und Ascl (1) bzw. Ascl und EcoRI (2) verdaut und nach Auftrennung durch Agarosegelelektrophorese erneut mit QlAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt. Die verdauten PCR-Produkte (1) und (2) wurden anschließend in den entsprechend geschnittenen und aufgereinigten 20 Vektor pSeqTagA ligiert (T4-Ligase, Promega). Eine Plasmid-Präparation erfolgte mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Korrektheit des Konstrukts wurde durch Sequenzierung bestätigt.

Zur Klonierung von s.c. anti CD3-scVEGF2 wurde das scVEGF2-Plasmid mit dem Restriktionsenzym EcoRI verdaut und unter Verwendung von Klenow-Fragment 25 (Boehringer Mannheim) wurde der einzelsträngige Überhang aufgefüllt. Anschließend wurde mit Notl verdaut. Als Vektor wurde das s.c. Fv anti CD3scVEGF2-Plasmid mit dem Restriktionsenzym Xhol verdaut, der einzelsträngige Überhang aufgefüllt und anschließend mit Notl verdaut. Die Produkte wurden mit QIAquickTM Spin-Säulen aufgereinigt und ligiert. Eine Plasmid-Präparation erfolgte 30 mit Qiagen tip 500-Säulen nach Angaben des Herstellers. Die Nukleotid- und Proteinsequenz des Konstrukts BMA031-scVEGF2 ist in Figur 4 dargestellt.

Expression von scVEGF2

35

Eine in vitro-Transkription und -Translation (Promega, nach Angaben des Herstellers) des scVEGF2-Konstruktes ergab ein Protein, das im SDS-

Polyacrylamidgel mit der erwarteten Größe von etwa 34 kd lief. Die Transfektion des Plasmids in HEK293-Zellen erfolgte wie unter Beispiel 1 aufgeführt. Transient transfizierte Zellen zeigten in der Immunfluoreszenz (s. Beispiel 1) ein deutliches Signal. Hier waren v.a. die Kompartimente des zellulären Sekretionsweges dargestellt. Stabile Klone wurden durch Selektion in 200 µg/µl Zeocin erhalten. Die Aufreinigung erfolgte aus dem Zellkulturüberstand durch immobilisierte Metallaffinitätschromatographie (IMAC) mittels sechs C-terminalen Histidinresten.

PCT/EP00/01612

Expression von s.c. Fv anti CD3-scVEGF2

10

Die Expression von s.c. Fv anti CD3-scVEGF2 erfolgt ebenfalls durch stabil transfizierte HEK293-Zellen. Wie scVEGF2 wird auch dieses Fragment mittels IMAC aufgereinigt.

15 MVL-IIIb1 = MVL der durch Di- bzw. Multimerisierung der Zellbindestruktur entsteht, wobei diese Zusammenlagerung durch Ausbildung von Disulfidbrücken stabilisiert wird.

Figurenlegende:

20

Figur 1:

Erfindungsgemäße MVP's enthaltend mindestens eine Bindestruktur für den Vektor, mindestens zwei Bindestrukturen für die Zielzelle und mindestens einen Linker.

25

30

Figur 2:

Erfindungsgemäße MVP's enthaltend mehrere Liganden; A. mindestens einfach verbunden über gleiche oder verschiedene Bindestrukturen für den Vektor; B. mindestens einfach verbunden über gleiche oder verschiedene Linker; C. mindestens einfach verbunden über gleiche oder verschiedene Bindestrukturen für die Zielzelle.

```
Tabelle 1
```

50

S11-VEGF in pSecTagA

5 1/1 31/11 aga acc cac tgc tta ctg gct tat cga aat taa tac gac tca cta tag gga gac cca agc

61/21

tgg cta gcc acc atg gag aca gac aca ctc ctg cta tgg gta ctg ctc tgg gtt cca

M E T D T L L W V L L L W V P

→ Ig kappa leader-Sequenz

121/41 Sfil 151/51
ggt tcc act ggt gac gcg gcc cag ccg gcc acg gcc CAG GTG CAA CTG CAG CAG TCA GGG
15 G S T G D A A Q P A T A Q V Q L Q Q S G
→ S11-VH

181/61 211/71
GCT GTA CTG GTG AGG CCT GGG TCC TCA GTG AAG ATT TCC TGC AAG GCT TCT GGC TAT GTA
20 A V L V R P G S S V K I S C K A S G Y V

241/81 271/91
TTC AGT AGT TAC TGG ATG AAC TGG GTG AAA CAG AGG CCT GGA CAG GGT CTT GAG TGG ATT
F S S Y W M N W V K Q R P G Q G L E W I

301/101 331/111
GGA CAG ATT CAT CCT GGA GAT GGT GAT ACT AAT TAC AAT GGA AAC CTC AAG GGT CAA GCC
G Q I H P G D G D T N Y N G N L K G Q A

30
361/121
391/131
ACA GTG ACT GCA GAC AAA TCC TCC AAC ACA GCC TAC ATG CAG TTC AGC AGC CTA AAA TCT
T V T A D K S S N T A Y M Q F S S L K S

35 421/141 451/151
GAG GAC TCT GCG GTC TAT TTC TGT GTC AGA GGA AGG GGA TGG CCT TAT GCT ATG GAC TAC
E D S A V Y F C V R G R G W P Y A M D Y

541/181

TCT GGC GGT GGC GGA TCG GAC ATC CAG ATG ACT CAG TCT CCA TCT TAT CTT GCT GCA TCT

45 S G G G S D I Q M T Q S P S Y L A A S

S11-VL

601/201 631/211

CCT GGA GAA ACC ATT ACT ATT AAT TGC AGG GCA AGT AAG AGC ATT AGC AAA TAT TTA GCC
P G E T I T I N C R A S K S I S K Y L A

691/221

TGG TAT CAA GAG AAA CCT GGG AAA ACT AAT AAG CTT CTT ATC TAC TCT GGA TCC ACT TTG

W Y Q E K P G K T N K L L I Y S G S T L

55 721/241 751/251
CAA TCT GGA ATT CCA TCA AGG TTC AGT GGC AGT CGA TCT GGT ACA GAT TTC ACT CTC ACC
Q S G I P S R F S G S R S G T D F T L T

781/261 811/271
60 ATC AGT AGC CTG GAG CCT GAA GAT TTT GCA ATG TAT TAC TGT CAA CAG TAT AAT GAA TAT

| S S L E P E D F A M Y Y C Q Q Y N E Y

5	841/281 871/291 NotI CCA TTC ACG TTC GGC TCG GGG ACC AAG CTG GAA ATA AAA CGG GCG GCC GCA ccc atg gca P F T F G S G T K L E K R A A P M A Linker \rightarrow VEGF
	901/301 931/311 gaa gga ggg cag aat cat cac gaa gtg gtg aag ttc atg gat gtc tat cag cgc agc E G G Q N H H E V V K F M D V Y Q R S
10	961/321 991/331 tac tgc cat cca atc gag acc ctg gtg gac atc ttc cag gag tac cct gat gag atc gag Y C H P I E T L V D I F Q E Y P D E I E
15	1021/341 1051/351 tac atc ttc aag cca tcc tgt gtg ccc ctg atg cga tgc ggg ggc tgc tgc aat gac gag Y I F K P S C V P L M R C G G C C N D E
20 .	1081/361 1111/371 ggc ctg gag tgt gtg ccc act gag gag tcc aac atc acc atg cag att atg cgg atc aaa G L E C V P T E E S N I T M Q I M R I K
25	1141/381 cct cac caa ggc cag cac ata gga gag atg agc ttc cta cag cac aac aaa tgt gaa tgc PHQGQHIGEMSFLQHNKCEC
30	1201/401 EcoRI aga cca aag aaa gat aga gca aga caa gaa CAT CAC CAT CAC CAT TGA GAA TTC tgc (SEQ ID NO.: 37)
	R P K K D R A R Q E <u>H H H H H H *</u> (SEQ ID NO.: 38) His-Tag
35	Tabelle 2
	S11-scVEGF₂ in pSecTagA
40	1/1 aga acc cac tgc tta ctg gct tat cga aat taa tac gac tca cta tag gga gac cca agc
45	61/21 tgg cta gcc acc atg gag aca gac aca ctc ctg cta tgg gta ctg ctc tgg gtt cca M E T D T L L W V L L W V P Ig kappa leader sequence
50	121/41 Sfil 151/51 ggt tcc act ggt gac gcg gcc cag ccq gcc acg gcc CAG GTG CAA CTG CAG CAG TCA GGG G S T G D A A Q P A T A Q V Q L Q Q S G → S11-VH

181/61 211/71 GCT GTA CTG GTG AGG CCT GGG TCC TCA GTG AAG ATT TCC TGC AAG GCT TCT GGC TAT GTA A V L V R P G S S V K I S C K A S G Y V 271/91 TTC AGT AGT TAC TGG ATG AAC TGG GTG AAA CAG AGG CCT GGA CAG GGT CTT GAG TGG ATT F S S Y W M N W V K Q R P G Q G L E W I 10 331/111 GGA CAG ATT CAT CCT GGA GAT GGT GAT ACT AAT TAC AAT GGA AAC CTC AAG GGT CAA GCC G Q I H P G D G D T N Y N G N L K G Q A 15 391/131 ACA GTG ACT GCA GAC AAA TCC TCC AAC ACA GCC TAC ATG CAG TTC AGC AGC CTA AAA TCT V T A D K S S N T A Y M Q F S S L K S GAG GAC TCT GCG GTC TAT TTC TGT GTC AGA GGA AGG GGA TGG CCT TAT GCT ATG GAC TAC 20 E D S A V Y F C V R G R G W P Y A M D Y 511/171 TGG GGC CAA GGG ACC ACG GTC ACC GTC TCA GGT GGA GGC GGT TCA GGC GGA GGT GGC 25 541/181 571/191 TCT GGC GGT GGC GGA TCG GAC ATC CAG ATG ACT CAG TCT CCA TCT TAT CTT GCT GCA TCT SGGGGSDIQMTQSPSYLAAS 30 → S11-VL 601/201 631/211 CCT GGA GAA ACC ATT ACT ATT AAT TGC AGG GCA AGT AAG AGC ATT AGC AAA TAT TTA GCC 35 P G E T I T I N C R A S K S I S K Y L A 691/231 661/221 TGG TAT CAA GAG AAA CCT GGG AAA ACT AAT AAG CTT CTT ATC TAC TCT GGA TCC ACT TTG WYQEKPGKTNKLLIY 40 751/251 CAA TCT GGA ATT CCA TCA AGG TTC AGT GGC AGT CGA TCT GGT ACA GAT TTC ACT CTC ACC Q S G I P S R F S G S R S G T D F T 45 811/271 ATC AGT AGC CTG GAG CCT GAA GAT TTT GCA ATG TAT TAC TGT CAA CAG TAT AAT GAA TAT ISSLEPEDFAMYYCQQYNEY 50 871/291 CCA TTC ACG TTC GGC TCG GGG ACC AAG CTG GAA ATA AAA CGG GCG GCC GCA ccc atg gca P F T F G S G T K L E I K R A A A P M A Linker → VEGF(1) 901/301 931/311 55 gaa gga gga ggg cag aat cat cac gaa gtg gtg aag ttc atg gat gtc tat cag cgc agc E G G G Q N H H E V V K F M D V Y Q R S 961/321 991/331 tac tgc cat cca atc gag acc ctg gtg gac atc ttc cag gag tac cct gat gag atc gag YCHPIETLVDIFQEYPDEIE

1021/341 1051/351 tac atc ttc aag cca tcc tgt gtg ccc ctg atg cga tgc ggg ggc tgc tgc aat gac gag Y I F K P S C V P L M R C G G C C N D E 1081/361 1111/371 ggc ctg gag tgt gtg ccc act gag gag tcc aac atc acc atg cag att atg cgg atc aaa G L E C V P T E ES N I T M Q I M R I K 10 1141/381 1171/391 cct cac caa ggc cag cac ata gga gag atg agc ttc cta cag cac aac aaa tgt gaa tgc PHQGQHIG EMSFLQHNKČEC 1201/401 1231/411 Ascl aga cca aag aaa gat GGT GGA GGC AGC GGA GGC GGC GCC TCG GGA GGC GGT AGT gga 20 1261/421 1291/431 gga ggg cag aat cat cac gaa gtg gtg aag ttc atg gat gtc tat cag cgc agc tac tgc G G Q N H H E V V K F M D V Y Q R S Y C 25 VEGF(2) 1321/441 1351/451 cat cca atc gag acc ctg gtg gac atc ttc cag gag tac cct gat gag atc gag tac atc HPIETLV DIFQ EYPDE I EY I 30 1381/461 1411/471 ttc aag cca tcc tgt gtg ccc ctg atg cga tgc ggg ggc tgc tgc aat gac gag ggc ctg FK PSCVPLM RCG GCC N D E G L 1441/481 35 1471/491 gag tgt gtg ccc act gag gag tcc aac atc acc atg cag att atg cgg atc aaa cct cac ECVPTEESNITMQIMRIKPH 1531/511 40 caa ggc cag cac ata gga gag atg agc ttc cta cag cac aac aaa tgt gaa tgc aga cca Q G Q H I G E M S F L Q H N K C E C R P 1591/531 EcoR! aag aaa gat aga gca aga caa gaa CAT CAT CAC CAT CAC CAT TGA GAA TTC tgc aga tat (SEQ ID NO.: 39) 45 K K D R A R Q E H H H H H H + (SEQ ID NO.: 40) His-Tag

Patentansprüche

- 1. Zielzellspezifisches, multivalentes Protein (MVP), dadurch charakterisiert, daß das MVP aus folgenden kovalent miteinander verbundenen Komponenten besteht:
- besteht:a) einer Bindestruktur (a)_n spezifisch für den Vektor,
 - b) einem Linker (b)_m, und
 - c) mindestens zwei Bindestrukturen (c)_o für die Zielzelle; wobei unabhängig voneinander n=1-10, m=1-10 und o=2-10 sind.

10

20

25

30

- 2. MVP nach Anspruch 1, in welchen die Komponente b mindestens ein fusogenes Peptid oder ein Translokalisationspeptid enthält.
- MVP nach einem der Ansprüche 1 oder 2, dadurch charakterisiert, daß die
 Bindestruktur für den Vektor ausgewählt ist aus einer Gruppe umfassend
 - einen zellulären Rezeptor für ein Virus, wie beispielsweise für AdV, AAV, ein Lentivirus, ein RTV, Vacciniavirus, HSV, Influenzavirus, HIV
 - einen rekombinanten Antikörper spezifisch für ein Virusprotein, für einen nichtviralen Vektor oder für eine Nukleinsäure, wie beispielsweise ein IgG, F(ab')₂, Fab, rec. Fv, Diabody oder einzelkettiges, doppelantigenbindendes Protein
 - ein Peptid mit einer reaktiven Gruppe zur Konjugation an ein Virusprotein
 - ein Peptid mit Bindeaffinität zu einer definierten Nukleinsäuresequenz, wie beispielsweise LexA, Gal4 oder die DNA-Bindedomäne eines Transkriptionsfaktors.
 - 4. MVP nach einem der Ansprüche 1 bis 3, dadurch charakterisiert, daß die Bindestruktur für die Zielzelle ausgewählt ist aus einer Gruppe umfassend
 - einen rekombinanten Antikörper spezifisch für eine Membranstruktur auf der Zielzelle, beispielsweise IgG, F(ab)₂, Fab, rec. Fc, Diabody oder einzelkettige, doppelantigenbindende Proteine
 - das Fc-Teil eines Immunglobulins

WO 00/53790 PCT/EP00/01612

- einen Wachstumsfaktor
- ein Cytokin
- ein Chemokin
- ein Peptidhormon
- 5 ein Adhäsionsmolekül
 - einen Mediator

25

- die Zellmembran-bindende Domäne eines Virushüllproteins
- 5. MVP nach einem der Ansprüche 1 bis 4, bei welchem die Komponenten a und chumanen Ursprungs sind.
 - 6. Nukleinsäurekonstrukt, kodierend für ein MVP nach einem der Ansprüche 1 bis 5.
- 7. Ein Bakterium, eine Hefe oder eine Säugerzelle, in welche ein15 Nukleinsäurekonstrukt nach Anspruch 6 eingeführt worden ist.
 - 8. MVP gemäß einem der Ansprüche 1 bis 5, an dessen Komponente a ein Vektor gebunden ist.
- 20 9. MVP gemäß Anspruch 8, wobei der Vektor ausgewählt wird aus einer Gruppe umfassend RTV, AdV, AAV, Influenzavirus, HSV, Vacciniavirus und Lentivirus.
 - 10.MVP gemäß Anspruch 8, wobei der Vektor ausgewählt wird aus einer Gruppe enthaltend einen nichtviralen Vektor, DNA, RNA und Plasmide.

11.MVP gemäß Anspruch 10, wobei der nichtvirale Vektor ausgewählt wird aus einer Gruppe umfassend kationische Lipide, kationische Polymere und Porphyrine.

30 12. Verwendung eines MVP gemäß einem der Ansprüche 1 bis 5 oder 8 bis 11 zur Herstellung eines Heilmittels zur Behandlung von Zellen außerhalb des Gewebeverbandes bei Erkrankungen der Haut, der Schleimhaut, des Nervensystems, der inneren Organe, der Gerinnung, des blutbildenden Systems, 10

15

20

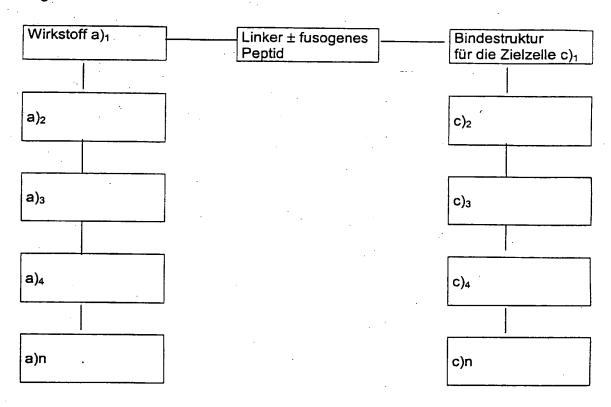
25

des Immunsystems, der Muskulatur, des Stützgewebes oder der Gelenke und zur Impfung zur Vorbeuge oder Therapie dieser Erkrankungen.

- 13. Verwendung eines MVP's gemäß einem der Ansprüche 1 bis 5 oder 8 bis 11 zur
 Herstellung eines Heilmittels
 - a) zur lokalen Verabreichung bei Erkrankungen der Haut, der Schleimhaut, des Nervensystems, der inneren Organe, der Gerinnung, des blutbildenden Systems, des Immunsystems, der Muskulatur, des Stützgewebes oder der Gelenke und zur Impfung zur Vorbeuge oder Therapie dieser Erkrankungen;
 - b) zur Injektion bei Erkrankungen der Haut, der Schleimhaut, des Nervensystems, der inneren Organe, der Gerinnung, des blutbildenden Systems, des Immunsystems, der Muskulatur, des Stützgewebes oder der Gelenke und zur Impfung zur Vorbeuge oder Therapie dieser Erkrankungen.
 - 14. Herstellung eines MVP's gemäß einem der Ansprüche 1 bis 5 oder 8 bis 11 durch Expression eines Nukleinsäurekonstrukts gemäß Anspruch 8, Reinigung der exprimierten Proteine und gegebenenfalls Assoziierung verschiedener Expressionsprodukte.
 - 15. MVP, bestehend aus einem scFv-Fragment mit einer Bindungsstelle für das adenovirale "fiber"-Protein und zwei VEBF-Einheiten, die über einen Peptidlinker verbunden sind.
 - 16. MVP, bestehend aus einem scFv-Fragment mit einer Bindungsstelle für das CD3-Molekül und zwei VEGF-Einheiten, die über einen Peptidlinker verbunden sind.
- 30 17. Komplex, bestehend aus mindestens zwei LVP's gemäß einem der Ansprüche 1 bis 5, wobei bei jedem der einzelnen Liganden o=1 sein kann.

18. Komplex gemäß Anspruch 17, wobei die Verbindung zwischen den Komponenten a), b) oder c) erfolgt.

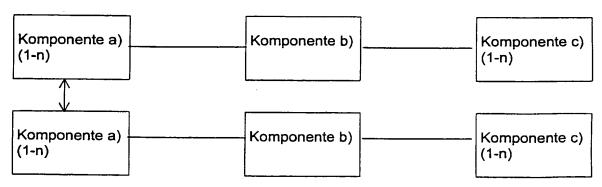
Figur 1



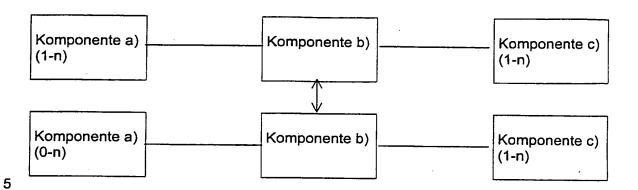
5

Figur 2

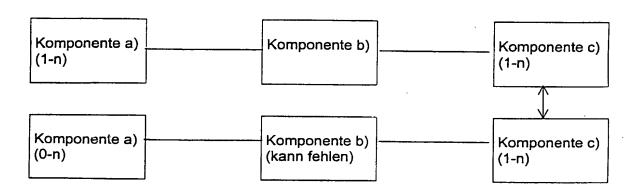
10 A



В



10 C



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Inter. Inal Application No PCT/EP 00/01612

			101721 00	,
A. CLASSI IPC 7	FICATION OF SUBJECT MATTER C12N15/87 C12N15/12 C07K1- A61K39/00 C07K16/00 C07K1		62 A61K	38/12
According to	o International Patent Classification (IPC) or to both national clas	ssification and IPC		
	SEARCHED			
IPC 7	ocumentation searched (classification system followed by classif C12N C07K A61K			
	tion searched other than minimum documentation to the extent t			
	ata base consulted during the international search (name of dat ,EPO-Internal	a base and, where practical,	search terms used	4)
C. DOCUM	ENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT			
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the	e relevant passages		Relevant to claim No.
X	EP 0 846 772 A (HOECHST AG) 10 June 1998 (1998-06-10) cited in the application			17,18
Y	the whole document			1-7
X	WO 94 04696 A (MILES INC) 3 March 1994 (1994-03-03)			17,18
Υ .	the whole document			1-7
Υ	WO 91 19739 A (CELLTECH LTD) 26 December 1991 (1991-12-26) the whole document	·		1-7
P,Y	EP 0 952 218 A (HOECHST MARION GMBH) 27 October 1999 (1999-10-the whole document			1-7
			•	
ſ	•			
Furth	ner documents are listed in the continuation of box C.	X Patent family n	nembers are listed	in annex.
"A" docume conside "E" earlier d filing de "L" docume which i citation "O" docume other n	nt which may throw doubts on priority claim(s) or s cited to establish the publication date of another or orther special reason (as specified) ont referring to an oral disclosure, use, exhibition or	cited to understand invention "X" document of particul cannot be consider involve an inventive "Y" document of particul cannot be consider document is combined.	not in conflict with I the principle or the car relevance; the card novel or cannot e step when the do ar relevance; the card to involve an in ned with one or monation being obvious.	the application but every underlying the laimed invention be considered to cument is taken alone laimed invention ventive step when the pre other such docu-us to a person skilled
	actual completion of the international search	Date of mailing of th		<u> </u>
28	3 June 2000	05/07/20	000	
Name and m	nailing address of the ISA European Patent Office, P.B. 5618 Patentiaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	Authorized officer Espen, J) .	

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

information on patent family members

Intel 3nal Application No PCT/EP 00/01612

		_				
Patent document cited in search repor	t	Publication date		atent family member(s)		Publication date
EP 0846772	A	10-06-1998	DE AU	19649645 4540797	Α	04-06-1998 04-06-1998
		•	BR	9706032	A	27-04-1999
			CA CZ	2217159 9703776	Ą	29-05-1998 17-06-1998
			HU	9703776	A A	28-06-1999
			JP	11000169		06-01-1999
			PL	323434		08-06-1998
WO 9404696	Α	03-03-1994	AU	674026		05-12-1996
			AU	5088593		15-03-1994
			CA	2143308		03-03-1994
			EP	0658210	A	21-06-1995
			FI	950866	A	24-04-1995
			JP NO	8504565 950726	Ι	21-05-1996 18-04-1995
			NZ	255870		25-09-1996
			ZA	9306189		10-01-1995
WO 9119739	Α .	26-12-1991	AU	654134		27-10-1994
	·		AU	7983191		07-01-1992
	•		CA	2064829	A	12-12-1991
			EP	0486652		27-05-1992
•			GB JP	2250995		24-06-1992 15-04-1993
			US	5502039 5864019	T	26-01-1999
				3004019		20-01-1999
EP 0952218	Α	27-10-1999	DE	19816141		14-10-1999
			DE	19827239		23-12-1999
			AU	2365699		28-10-1999 10-11-1999
			CN CZ	1234406 9901215		13-10-1999

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Inte .onales Aktenzeicher
PCT/EP 00/01612

A. KLASSIF IPK 7	FIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES C12N15/87 C12N15/12 C07K14,	/47 C12N15/62	A61K38/12			
ļ	A61K39/00 C07K16/00 C07K16					
Nooh das las	omotionales Describberia (IDM) adar such describeria	'la politication und des 106'				
	emationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen K RCHIERTE GEBIETE	Nassairkadon und der IPK				
	ter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssym	nbole)				
IPK 7	C12N C07K A61K					
Recherchien	te aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen,	soweit diese unter die recherchierte	en Gebiete fallen			
		•				
Während de	r internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank	(Name der Datenbank und evtl. ve	erwendete Suchbegriffe)			
BIOSIS	, EPO-Internal		·			
	, > ==.					
			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			
	SENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN	ahe der in Betmeht kommenden T-	nile Betr. Anspruch Nr.			
Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Ang	Pane det in Denacht Kommenden 16	Detr. Arispition Nr.			
х	EP 0 846 772 A (HOECHST AG)		17,18			
^	10. Juni 1998 (1998-06-10)		17,18			
	in der Anmeldung erwähnt					
Υ	das ganze Dokument		1-7			
x	WO 94 04696 A (MILES INC)		17,18			
^	3. März 1994 (1994–03–03)		17,10			
Υ	das ganze Dokument		1-7			
	UO 01 10720 A (CELLTECH LTD)		1-7			
Y	WO 91 19739 A (CELLTECH LTD) 26. Dezember 1991 (1991-12-26)		1-7			
	das ganze Dokument					
1		DOLLOCE! DE	. <u>-</u>			
P,Y	EP 0 952 218 A (HOECHST MARION GMBH) 27. Oktober 1999 (1999-10		1-7			
	das ganze Dokument	<i>L1)</i>				
]						
1						
<u> </u>	<u> </u>					
Weit entr	ere Veröffentlichungen sind der Fontsetzung von Feld C zu ehmen	X Siehe Anhang Patentfa	amilie -			
	e Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen :	"T" Spätere Veröffentlichung, die	e nach dem internationalen Anmeldedatum			
"A" Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist und mit der Anmeldung nicht kollidiert, sondem nur zum Verständnis des der Effindung zugrundeliegenden Prinzips oder der ihr zugrundeliegenden						
E älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist *X* Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung						
"L" Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft er- scheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer						
anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden "Y" Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie kann nicht als auf erfindenischer Tätigkeit beruhend betrachtet						
ausgeführt) *O* Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, *O* Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und						
eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht "P" Veröffentlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach "Reine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht "B" Veröffentlichung, die Wittglied derseiben Patentfamilie ist						
dem b	eanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist Abschlusses der internationalen Recherche	a verble lucium, de kingle	tionalen Recherchenberichts			
Datum des	ADSCHIEGOOGS OUT INTERHINDUCTION MECHBICHE	Anseridedaturi des intema	ing igner i nocholighens			
2	8. Juni 2000	05/07/2000	•			
Name und	Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde	Bevollmächtigter Bedienste	eter			
	Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk	2 2				
	Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo ni, Fax: (+31-70) 340-3016	Espen, J				

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Angaben zu Veröffentlichungen, die zur selben Patentfamilie gehören

Intel Inales Aktenzeichen
PCT/EP 00/01612

Im Recherchenbericht angeführtes Patentdokument		Datum der Veröffentlichung	Mitglied(er) der Patentfamilie			Datum der Veröffentlichung
EP 0846772	A	10-06-1998	DE AU BR CA CZ HU JP PL	4540797 9706032 2217159 9703776 9702251	A A A A	04-06-1998 04-06-1998 27-04-1999 29-05-1998 17-06-1998 28-06-1999 06-01-1999
WO 9404696	A	03-03-1994	AU AU CA EP FI JP NO NZ ZA	2143308 0658210 950866 8504565 950726	A A A T A	05-12-1996 15-03-1994 03-03-1994 21-06-1995 24-04-1995 21-05-1996 18-04-1995 25-09-1996 10-01-1995
WO 9119739	A .	26-12-1991	AU AU CA EP GB JP US	2064829 0486652 2250995	A A A A,B T	27-10-1994 07-01-1992 12-12-1991 27-05-1992 24-06-1992 15-04-1993 26-01-1999
EP 0952218	A	27-10-1999	DE DE AU CN CZ	19816141 19827239 2365699 1234406 9901215	A A A	14-10-1999 23-12-1999 28-10-1999 10-11-1999 13-10-1999